

جدول (٧-١) التخطيط لإجراء الهجن الثلاثية في تصميم تريايل

الآباء						الهجن الفردية
٥	٤	٣	٢	١		
٥	٤	٣				٢ × ١
٥	٤		٢			٣ × ١
٥		٣	٢			٤ × ١
	٤	٣		١		٥ × ١
٥	٤				١	٣ × ٢
		٣			١	٤ × ٢
	٤	٣			١	٥ × ٢
٥			٢		١	٤ × ٣
	٤		٢		١	٥ × ٣
		٣	٢		١	٥ × ٤

ومن أهم صفاته تحليل الكوادريايل ما يلي:

١ - تتضمن كل الهجن الزوجية الممكنة بين n من السلالات، وعددها

$$[n(n-1)(n-2)(n-3)/8]$$

٢ - يعطى معلومات عن كل من التباين الإضافي (D)، وتبين السيادة (H). وبسبب

التفوق

٣ - يقاس تأثيرات السلالات في الهجن الفردية والثلاثية والزوجية، وساعد في

تقرير ترتيب تزواج الآباء لأجل إنتاج الهجن الزوجية المتفوقة

ولأجل إجراء تحليل كوادريايل يتم بعد اختبار سلالات الآباء - إجراء كل

التلقيحات الفردية الممكنة بطريقة ديايليل لكن بدون تلقيحات عكسية، وهي مساوي

$n(n-1)/2$ ، ثم يتم - في الموسم التالي إجراء كل الهجن الزوجية الممكنة، كما في

جدول (٧-٢)، علما بأنه لا يلزم للتحليل سوى التلقيحات المباشرة

تحليل متوسط الأجيال

يعتمد تحليل متوسط الأجيال generation mean analysis على ستة أجيال للتلقیح،

هي الأبوان (P_1 & P_2)، والجيل الأول (F_1)، والجيل الثاني (F_2)، والتلقيحات

تحليل التباين، والكوادريابل، ومتوسط الأجيال

الرجعيان (B_1 & B_2). وتستخدم المتوسطات - عبر المكررات - في تقدير تأثير الجينات.

جدول (٧-٢): التخطيط لإجراء المحن الزوجية في تصميم كوادريابل يتضمن خمس سلالات.

المجن الفردية	٢١	٣١	٤١	٥١	٣٢	٤٢	٥٢	٤٣	٥٣	٥٤
٢١	*								x	x
٣١		"				x	x			x
٤١			*		x		x		x	
٥١				*	x	x		x		
٣٢			+	+	*				x	
٤٢				+		*				x
٥٢			+	+			x	*		
٤٣				+			+	*		
٥٣			+	+		+			*	
٥٤			+	+						*

x = تلقيحات مباشرة؛ * تلقيحات ذاتية؛ + تلقيحات عكسية.

ويتكون تحليل متوسط الأجيال من خطوتين رئيسيتين، هما: اختبار التفوق، وتقدير تأثير الجينات والتباينات.

يعتبر اختبار التفوق ضرورياً قبل تقدير مكونات التباين الوراثي؛ لأنه يساعد على اتخاذ قرار بشأن طريقة تحليل مكونات التباين. وفي تحليل متوسط الأجيال يُعرف الاختبار الذي يقرر ما إذا كانت التفاعلات غير الآليلية موجودة، أم غائبة، وأنواعها. يعرف ذلك الاختبار باسم اختبار اسكيلنج scalling test.

اختبار اسكيلنج

يجرى اختبار اسكيلنج Scalling Test للتأكد من أمرين هما:

١ - غياب التفاعل بين الجينات غير الآليلية

٢ - غياب التفاعل بين العوامل الوراثية والعوامل البيئية.

وترجع أهمية هذا الاختبار إلى أن معظم الطرق والمعادلات المستعملة في حساب تباين الإضافة وتباين السيادة تفترض عدم وجود أي تفاعل بين الجينات وبعضها

يوجد أربعة اختبارات اسكينج، تأخذ الرموز A، و B، و C، و D، ويعتمد كل اختبار منها على توفر بيانات عن المتوسطات الحسابية لعشائر الأبوس، \bar{P} و \bar{P} ، ونحسب لأول (\bar{F})، والثاني (\bar{F})، والثالث (\bar{F})، والرابع (\bar{B})، على أن يحصل على المتوسطات من تجربة بمكررات بتصميم نفعات لعسوبة الكاملة. ونجرب اختبار اسكينج (D) عند توفر بيانات عن نجس لثالث (F) مع غياب بيانات عن التلقيحات لرجعية

وتجري اختبارات اسكينج A، و B، و C، و D كما يلي.

$$\begin{array}{ll} A - 2\bar{B} - \bar{P} - \bar{F}_1 & VA = 4V(B) + V(\bar{P}_1) + V(\bar{F}_1) \\ B - 2\bar{B} - \bar{P} - \bar{F}_1 & VB = 4V(\bar{B}_1) + V(\bar{P}_1) + V(\bar{F}_1) \\ C - 4\bar{F} - 2\bar{F} - P_1 - \bar{P}_2 & VC = 16V(\bar{F}_2) + 4V(\bar{F}_1) + V(P_1) + V(\bar{P}_1) \\ D - 2\bar{F} - \bar{B} - \bar{B}_2 & VD = 4V\bar{F}_2 + VB + V\bar{B}_2 \end{array}$$

وهي حالة عدم توفر التلقيحات لرجعية مع وجود الجس الثالث من الـ cal، D بحسب كما يلي

$$D = 4\bar{F} - 2\bar{F} - \bar{P} - \bar{P}_1, \quad VD = 16V(\bar{F}_1) + 4V(\bar{F}_2) + V(P_1) + V(\bar{P}_1)$$

ويلى ذلك حساب لانحراف لتبسي لكل من A، و B، و C، و D بأخذ الحدز سرسعى لتبايناتها على - التوالى وتحسب قيم t بقيمة تأثيرات A، و B، و C، و D على انحرافاتها القياسية، على السوالى (أى إن t = الانحرافات / التباين الانحرافات)

نقارن القيم المحسوبة لاختبارات الـ calling الأربعة مقابل ١٩٦، وهي قيمة t لجدوليه عند مستوى ٥ لعنوى هذا كانت قيمة t المحسوبة للـ cal، أعنى من ١٩٦ اعترت معنوية، والعكس بالعكس

يدل عدم اختلاف قيم اختبارات اسكينج (A)، و (B)، و (C)، و (D) حوهرت عن الصفر، أو عن حدود لانحراف القياسى لكل منها على عدم وجود أية تفاعلات ضمن مكونات تباين الشكل المظهري، وبد يمكن تقدير قيم تباين الإضافة وتباين السيادة بالطريقة السهلة التى سبق بيانها، التى تعتمد على قيم تباينات الآب، والجدليس الأول والثانى، والتلقيحات الرجعية

تحليل التريابيل، والكوارايايل، ومتوسط الأجيال

أما إذا اختلفت قيم أى من اختبارات اسكينج جوهرياً عن الصفر فإن ذلك يكون دليلاً على وجود تفاعل بين جينات غير آليّة

وتتعدد نوعية التفاعلات الجينية بماصية اختبارات الأصكينج المعنوية، كما

يلي:

التفاعل المتوقع	الاختبار الجوهري
إضافي، إضافي بصفة أساسية	D
سيادة × سيادة	C
إضافي × إضافي، وسيادة × سيادة، وإضافي × سيادة	B و A
إضافي × إضافي، وسيادة × سيادة	D و C

ويلزم - في هذه الحالة - تقدير مكونات تباين الإضافة والسيادة والتفاعلات المختلفة من تباينات متوسطات عسائر الآباء، والجيلين الأول والثاني، والنقبيحات الرجعية بالطريقة التي سبق بيانها (عن Singh & Naryanan 1993)

ويوجد اختيار اسكينج آخر؛ للتعرف على مدى استقلالية التأثير البيئي عن التأسير الوراثي، أى لاختبار غياب التفاعل بين البيئة والوراثة. ويجرى الاختبار بمقارنه تباينات العسائر غير الانعزالية V_{F1} ، و V_{F2} ، و V_{F3} باستخدام اختبار (F) وتحسب قيمة (F) بقسمة التباين الأكبر على التباين الأصغر في كل مقارنة من المقارنات الثلاث الممكنة، وهي V_{F1} مع V_{F2} ، و V_{F1} مع V_{F3} ، و V_{F2} مع V_{F3} تعرف جوهريّة قيمة (F) المحسوبة لكل مقارنة من جدول (F)، مع اعتبار درجات الحرية الأفقية للبسط، والرأسية للمقام، وبحسب درجات الحرية على اعتبار أنها = ن - 1، حيث تمثل (ن) عدد الأفراد التي استخدمت في حساب قيمة التباين. وتدل جوهريّة الاختبار على وجود تفاعل وراثي × بيئي (Sheppard 1973)

موديلات قياس تأثيرات الجينات وتبايناتها

يتم تحليل متوسط الأجيال بواحد من ثلاثة موديلات، كما يلي

موديل الستة والأثل

يتم بواسطة موديل الستة دلائل six parameter model قياس المتوسط (m) mean،

والتأثيرات الإضافية للجينات (d)، وتأثيرات السيادة للجينات (h)، وتأثيرات أنواع التفاعلات المختلفة الإضافية × الإضافية (i)، والإضافي × السيادة (j)، والسيادة × السيادة (l)، كما يلي.

$$m = \text{mean effects} = \bar{F}_2$$

$$d = \text{additive effects} = \bar{B}_1 - \bar{B}_2$$

$$h = \text{dominance effects} = \bar{F}_1 - 4\bar{F}_2 - \frac{1}{2}\bar{P}_1 - \frac{1}{2}\bar{P}_2 + 2\bar{B}_1 + 2\bar{B}_2$$

$$i = \text{additive} \times \text{additive gene interaction} = 2\bar{B}_1 + 2\bar{B}_2 - 4\bar{F}_2$$

$$j = \text{additive} \times \text{dominance gene interaction} = \bar{B}_1 - \frac{1}{2}\bar{P}_1 - \bar{B}_2 + \frac{1}{2}\bar{P}_2$$

$$l = \text{dominance} \times \text{dominance gene interaction} = \bar{P}_1 + \bar{P}_2 + 2\bar{F}_1 + 4\bar{F}_2 - 4\bar{B}_1 - 4\bar{B}_2$$

حيث إن \bar{P}_1 ، \bar{P}_2 ، \bar{F}_1 ، \bar{F}_2 ، \bar{B}_1 ، و \bar{B}_2 هي متوسط قيم الصفة عبر المكررات - للعناصر P_1 ، و P_2 ، و F_1 ، و F_2 ، و B_1 ، و B_2 ، على التوالي

وتعصب تباينات تأثيرات الجينات، كما يلي.

$$Vm = V\bar{F}_2$$

$$Vd = V\bar{B}_1 + V\bar{B}_2$$

$$Vh = V\bar{F}_1 + 16V\bar{F}_2 + \frac{1}{4}V\bar{P}_1 + \frac{1}{4}V\bar{P}_2 + 4V\bar{B}_1 + 4V\bar{B}_2$$

$$Vi = 4V\bar{B}_1 + \frac{1}{4}V\bar{B}_2 + 16V\bar{F}_2$$

$$Vj = V\bar{B}_1 + \frac{1}{4}V\bar{P}_1 + V\bar{B}_2 + \frac{1}{4}V\bar{P}_2$$

$$Vl = V\bar{P}_1 + V\bar{P}_2 + 4V\bar{F}_1 + 16V\bar{F}_2 + 16V\bar{B}_1 + 16V\bar{B}_2$$

وللتذكرة - وحتى لا يحدث أى التباس - فقد سبقت الإشارة إلى تأثيرات الجينات وتباين تلك التأثيرات فى مواضع أخرى من هذا الكتاب على النحو التالى

الرمز المستعمل له فى مواضع أخرى	الرمز المستعمل له فى هذا الجزء	القيمة أو المعيار الوراثى
m	m	المتوسط العام للجين الثانى (mean effects)
a	d	التأثيرات الإضافية للجينات (additive effects)
d	h	تأثير السيادة للجينات (dominance effects)
aa	i	التفاعل الجينى إضافى × إضافى
ad	j	التفاعل الجينى : إضافى × سيادة
dd	l	التفاعل الجينى سيادة × سيادة

الرمز المستعمل له في مواضع أخرى	الرمز المستعمل له في هذا الجزء	القيمة أو المعيار الوراثي
VF ₂	Vm	تباين الجيل الثاني
VA	Vd	تباين التأثير الإضافي للجيئات
VD	Vh	تباين تأثير السيادة للجيئات
VAA	Vi	تباين تأثير التفاعل الإضافي × الإضافي
VAD	Vj	تباين تأثير التفاعل إضافي × سيادة
VDD	VI	تباين تأثير تعامل السيادة × السيادة

هذا ولا يلزم لحساب أى من القيم السابقة الذكر سوى المتوسطات الحسابية للعشائر الست من تجربة بمكررات بتصميم القطاعات العشوائية الكاملة. يلي ذلك حساب الانحراف القياسى، وقيمة "t" لكل تباين منها، وهى التى يستدل منها على مدى جوهرية كل نوع من التباين. وتوجد معادلات لحساب التباينات السابقة عند عدم توفر بيانات عن التلقيحات الرجعية مع توفر بيانات عن الجيل الثالث

ويحصل على الانحراف القياسى لكل من التباينات السابقة ليتمكن الحكم على مدى انحراف كل منها عن الصفر، وهو يساوى الجذر التربيعى لقيمة التباين فى كل حالة ويحسب مدى جوهرية انحراف القيم المقدرة عن الصفر بالمعادلة التالية
t - التباين/الانحراف القياسى للتباين

مويل (الثلاثة والدائل)

فى غياب التفوق يمكن حساب الدلائل m، d، و h فقط، وكذلك تبايناتها، بواسطة ما يعرف باسم ال three parameter model، كما يلى:

$$m = \frac{1}{2} \bar{P}_1 + \frac{1}{2} \bar{P}_2 + 4 \bar{F}_2 - 2 \bar{B}_1 - 2 \bar{B}_2$$

$$d = \frac{1}{2} \bar{P}_1 + \frac{1}{2} \bar{P}_2$$

$$h = 6 \bar{B}_1 + 6 \bar{B}_2 - 8 \bar{F}_2 - \bar{F}_1 - \frac{1}{2} \bar{P}_1 - \frac{1}{2} \bar{P}_2$$

$$Vm = \frac{1}{4} V\bar{P}_1 + \frac{1}{4} V\bar{P}_2 + 16 V\bar{F}_2 + 4 V\bar{B}_1 + 4 V\bar{B}_2$$

$$Vd = \frac{1}{4} V\bar{P}_1 + \frac{1}{4} V\bar{P}_2$$

$$Vh = 36 V\bar{B}_1 + 36 V\bar{B}_2 + 64 V\bar{F}_2 + V\bar{F}_1 + \frac{9}{4} V\bar{P}_1 + \frac{9}{4} V\bar{P}_2$$

وفي غياب التفوق يُقدر - كذلك - ثلاثة مكونات، هي: التباين الإضافي (الذي يطلق عليه اسم التباين الثابت الذي يورث heritable fixable variance، ويعطى الرمز D)، وتباين السيادة (الذي يطلق عليه اسم التباين غير الثابت الذي يورث heritable non-fixable variance، ويعطى الرمز H)، والتباين البيئي (الذي يطلق عليه اسم التباين غير الثابت الذي لا يورث non-heritable non-fixable variance، ويعطى الرمز E). وتحسب تقديراتها، كما يلي

$$D = 4 VF_2 - 2 (VB_1 + VB_2)$$

$$H = 4 (VB_1 + VB_2 - VF_2 - VE)$$

$$E = (VP_1 + VP_2 + VF_1)/3$$

وتقدر درجة السيادة من النسبة (H/D) ، حيث تدل القيمة صفر على غياب السيادة، والقيمة الأعلى من الصفر حتى أقل من الواحد الصحيح على السيادة الجزئية، والقيمة واحد صحيح على السيادة التامة، والقيمة الأعلى من الواحد الصحيح على السيادة الفائقة

مدويل (خمسة دلائل)

عند عدم توفر التلقيحات الرجعية، ولكن يتوفر الجيل الثالث، فإنه يمكن اتباع ما يعرف باسم ال five parameter model، حيث تقدر الدلائل parameters m ، و d ، و h ، و i ، و l ، ولكنه لا يعطى تقديراً للدليل j (أى تأثير تفاعل الإضافة \times لسيادة) وتقدر تأثيرات الجينات، كما يلي:

$$m = \bar{F}_2$$

$$d = \frac{1}{2} \bar{P}_1 - \frac{1}{2} \bar{P}_2$$

$$h = \frac{1}{6} (4\bar{F}_1 + 12\bar{F}_2 - 16\bar{F}_3)$$

$$i = \bar{P}_1 - \bar{F}_2 + \frac{1}{2} (\bar{P}_1 - \bar{P}_2 + h) - \frac{1}{4} l$$

$$l = \frac{1}{3} (16\bar{F}_3 - 24\bar{F}_2 + 8\bar{F}_1)$$

وتقدر تبايناته تلك القيم، كما يلي،

$$Vm = VF_2$$

$$Vd = \frac{1}{4} (V\bar{P}_1 + V\bar{P}_2)$$

$$Vh = \frac{1}{36} (16 VF_1 + 144 VF_2 + 256 VF_3)$$

$$V_i = V\bar{P}_1 + V\bar{P}_2 + \frac{1}{4} (V\bar{P}_1 + V\bar{P}_2 + V_h) + \frac{1}{6} V_l$$

$$V_l = \frac{1}{6} (256 V\bar{F}_3 + 576 V\bar{F}_2 + 64 V\bar{F}_1)$$

مدلولات نتائج تحليل مكونات التباين الوراثي

تفسر نتائج مكونات التباين الوراثي، كما يلي:

- ١ - إذا كان التباين الإضافي عالياً يجب الاعتماد على الانتخاب الإجمالي في حالة المحاصيل الذاتية التلقيح، وعلى إنتاج الأصناف التركيبية في حالة المحاصيل الخلطية التلقيح
- ٢ - إذا كان تباين السيادة (وخاصة تباين السيادة الفائقة) كبيراً، يجب التركيز على إنتاج الأصناف الهجين.
- ٣ - إذا كان تباين التفاعل عالياً يجب التركيز على الانتخاب بين السلالات والعائلات
- ٤ - إذا كانت مكونات التباين الوراثي متساوية في أهميتها يجب التركيز على إنتاج الأصناف الـ composites لأجل تطوير عشائر تضم أكبر قدر من الجينات المرغوب فيها

القيم الأخرى التي يُتَّحَصَلُ عليها من تحليل متوسط الأجيال

تستخدم نتائج تحليل متوسط الأجيال - كذلك - في حساب القيم التالية

١ - التقدم الوراثي genetic advance (أو GS).

$$GS = [VG/(VP)^{1/2}] \times K$$

حيث إن K هي ثابت تتوقف قيمته على شدة الانتخاب، و VG التباين الوراثي وهو يحسب بطرح تباين الجيل الأول من تباين الجيل الثاني، و VP هو تباين الشكل المظهري وهو يساوي تباين الجيل الثاني.

وبذا . فإن:

$$GS = [(VF_2 - VF_1)/(VF_2)^{1/2}] \times K$$

٢ - درجة التوريث:

تقدر درجة التوريث على النطاق العريض (BSH)، كما يلي

$$BSH = [(VF_2 - VF_1) / VF_2] / 100$$

وتقدر درجة التوريث على النطاق الضيق (NSH) بإحدى طريقتين، كما يلي

$$NSH = (2D / VF_2) \times 100$$
 أو

$$NSH = [D / (D + H + E)] \times 100$$

٣ - قوة الهجين heterosis .

يمكن تقدير قوة الهجين نسبة إلى متوسط الأبوين، أو نسبة إلى الأب الأفضل، أو نسبة إلى صنف تجارى قياسى

٤ - التدهور مع التربية الداخلية inbreeding depression (أو ID)، كما يلي

$$ID = [(\bar{F}_1 - \bar{F}_2) / \bar{F}_1] \times 100$$

مزايا تحليل متوسط الأجيال

يفيد تحليل متوسط الأجيال فيما يلي .

١ - يوفر معلومات عن مكونات التباين الوراثى (d، و h، و ا، و j، و l)، بما يساعد فى اتخاذ القرار بشأن طريقة التربية المناسبة لتحسين مختلف الصفات الكمية للمحصول

٢ - يوفر كذلك معلومات حول أنواع التفوق، وهو ما يعتمد على علامة الكوسين h، و l؛ أسالبة أم موجبة؟. فعندما تكون علامة الكونين h، و l كلتاهما متماثلتين (سالبتين أو موجبتين) دل ذلك على وجود complementary epistasis، وعندما تكون علامة إحدى الكونين سالبة والأخرى موجبة دل ذلك على وجود duplicate epistasis

٣ - يمكن - كذلك - تقدير التقدم الوراثى، ودرجة التوريث، وقوة الهجين، والتدهور مع التربية الداخلية

٤ - يمكن إجراء التحليل حتى مع عدم وجود مكررات، ويعطى نتائج على درجة عالية من الدقة

وتجدر الإشارة إلى أن تحليل متوسط الأجيال لا يتطلب أى افتراضات وراثية. بعكس الحال فى تحليل دياليل الذى يتطلب عدة افتراضات وراثية نادراً ما تتحقق (عن Singh & Naryanan ١٩٩٣)