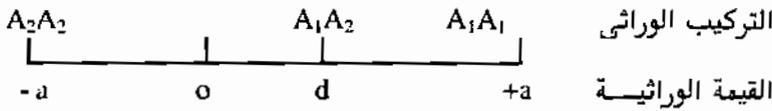


تطبيق القانون في التقدير الكمي لتأثير الجين على الفرد والعشيرة

متوسط العشيرة والقيمة الوراثية

يعتبر متوسط العشيرة population mean من أهم القيم الإحصائية التي تستخدم في الوصف الكمي للعشيرة، وهو يمثل متوسط التراكيب الوراثية التي تتكون منها العشيرة. ونوجز - فيما نلى - كيفية التوصل إلى المعادلة التي تستخدم في حساب متوسط العشيرة (عن Falconer ١٩٨١، و Fehr ١٩٨٧)

نفترض أن صفة ما يتحكم فيها جين واحد، له آليلان، هما A_1 ، و A_2 ونفترض - أيضاً - أن القيمة الوراثية genotypic value للتركيب الوراثي الأصيل A_1A_1 هي $(+a)$ ، وللتركيب الوراثي الأصيل الآخر A_2A_2 هي $(-a)$ ، وللتركيب الوراثي الخليط A_1A_2 هي (d) ، فإذا كان الآليل A_1 هو الذى يزيد من الصفة وكانت النقطة (0) تمثل القيمة الوسطية بين التركيبين الوراثيين الأصليين، كما هو مبين في الشكل التالي



فإن قيمة التركيب الوراثي الخليط (أى d) تعتمد على درجة السيادة، ففي غياب السيادة تماماً تكون (d) مساوية للصفر، بينما تكون (d) موجبة إذا كان الآليل A_1 سائداً على A_2 وتكون سالبة إذا كان الآليل A_2 سائداً على A_1

وعندما تكون السيادة تامة تكون (d) مساوية لـ $(+a)$ أو لـ $(-a)$ ، بينما تكون قيمة d أكبر من $(+a)$ ، أو أقل من $(-a)$ في حالة السيادة الفائقة over dominance ويعبر عن درجة السيادة بالقيمة d/a .

هذا إلا أن القيمة الوراثية للتركيب الوراثية الموجودة في العشيرة لا تتأثر بالتركيب الوراثية فقط، وإنما بنسبها إلى بعضها البعض أيضاً، ويطلق على القيمة التي تنتج من ذلك اسم متوسط العشيرة، وهي التي تحسب كالتالى:

وراثة الهشائر وتطبيقاتها في مجال تربية النبات

النسبة × القيمة	القيمة	النسبة	التركيب الوراثي
$p^2 a$	+a	p^2	A_1A_1
$2pqd$	d	$2pq$	A_1A_2
$-q^2 a$	-a	q^2	A_2A_2

$$M = a(p-q) + 2 dpq \text{ : المجموع}$$

وبذا . فإن متوسط أداء العشيرة في جين واحد بآليلين يتحدد بمعادلة "المجموع" السابقة، أي إن .

$$M = a (p-q) + 2 dpq$$

علمًا بأن :

M = متوسط العشيرة population mean .

a = قيمة التركيب الوراثي الأصيل (، و $-a$ للتركيب الوراثي الأصيل الآخر).

p = نسبة أحد الآليلين.

q = نسبة الآليل الآخر.

d = قيمة التركيب الوراثي الخليط.

p^2 ، q^2 ، و $2 pq$. نسب مختلف التراكيب الوراثية.

وتحدد قيمة a لأي تركيب وراثي أصيل بطرح متوسط أداء التركيبيين الوراثيين الأصيلين من أداء التركيب الوراثي الأصيل؛ فمثلاً:

$$+ a \text{ for } A_1A_1 = A_1A_1 - [(A_1A_1 + A_2A_2)/2]$$

$$- a \text{ for } A_2A_2 = A_2A_2 - [(A_1A_1 + A_2A_2)/2]$$

أما قيمة d فهي متوسط درجة السيادة بين الآليلين ، وتقدر بطرح متوسط التركيبيين الأصيلين من قيمة التركيب الوراثي الخليط؛ أي إن :

$$d = A_1A_2 - [(A_1A_1 + A_2A_2)/2]$$

وكما أسلفنا بيانه .. فإن قيمة d تكون أكبر من الصفر، ولكن أقل من a في حالة

السيادة الجزئية، وتتساوى مع a في حالة السيادة التامة، بينما تزيد قيمة d عن قيمة a في حالة السيادة الفائقة.

وتتراوح نسبة أى آليل فى العشيرة بين صفر، و ١ ، ولكن مجموع نسب الآليات عند أى موقع جينى يساوى واحد صحيح.

وتحدث التغيرات فى متوسط العشيرة نتيجة لتغير نسب الآليات فى الموقع الجينى الواحد بين أفراد العشيرة؛ لأن قيمتا a ، و d فى العشيرة لا تتغيران بالنسبة لأى موقع جينى (ولكنهما قد يتباينان - بطبيعة الحال - بين المواقع الجينية)

وتتغير قيمة M فى الحالات المختلفة كما يلى:

١ - فى حالة غياب السيادة تكون (d) مساوية للصفر، وتصبح المعادلة كما يلى

$$M = a(1 - 2q)$$

٢ - فى حالة السيادة التامة تكون (d) مساوية لـ (a)، وتصبح المعادلة كما يلى

$$M = a(1 - 2q^2)$$

٣ - فى حالة تأثر الصفة بعدد من العوامل الوراثية - كما هى الحال فى الصفات الكمية - تصبح المعادلة كما يلى

$$M = \sum a(p - q) + 2 \sum dpq$$

وتفترض تلك المعادلة عدم وجود تفاعل بين الجينات يمكن أن يؤثر على متوسط العشيرة

وعلى الرغم من عدم توفر وسيلة لتقدير قيمة a ، و d ، و p ، و q لكل موقع جينى على حدة لصفة كمية، فإن فهم دورها فى تحديد قيمة متوسط العشيرة يساعد فى تقييم دور الانتخاب فى أداء العشيرة

متوسط تأثير الجين

لكى يتسنى فهم العوامل المؤثرة على متوسط العشيرة . فإنه تلزم دراسة متوسط تأثير كل جين على حدة average effect of single genes، وهو الذى يمثل بمتوسط انحراف

وراثة العشائر وتطبيقاتها في مجال تربية النبات

قيم الأفراد التي تحتوى على هذا الجين عن متوسط العشيرة. فلو أن هذا الجين يوجد منه آيلان هما A_1 ، و A_2 بنسبة p ، و q على التوالي .. فإنه يمكن تقدير متوسط تأثير الآليل A_1 (أو α_1)، والآليل A_2 (أو α_2) كما يلي:

الجاميطات	قيم ونسب التراكيب الوراثية المتكونة		متوسط قيم التراكيب الوراثية المتكونة		متوسط تأثير الجين
	A_1A_1	A_1A_2	A_2A_2	المتكونة	
	a	d	$-a$		
A_1	p	q	$pa + qd$	متوسط العشيرة	$q [a + d (p - q)]$
A_2	p	q	$-qa + pd$	متوسط العشيرة	$-p [a + d (q - p)]$

وبفرض أن الجاميطات التي تحمل الآليل A_1 تتحد عشوائياً مع الجاميطات الأخرى في العشيرة .. فإن نسبة التراكيب الوراثية المنتجة تكون P من A_1A_1 ، و q من A_1A_2 ، وتكون القيمة الوراثية للتركيب A_1A_1 هي $(+a)$ ، وللتركيب A_1A_2 هي (d) ، ويكون المتوسط هو $pa + qd$ ، ويكون الفرق بين هذه القيمة ومتوسط العشيرة هو متوسط تأثير الآليل A_1 . وبحساب قيمة متوسط العشيرة من المعادلة الخاصة بها .. نجد أن

$$\alpha_1 = pa + qd - [a(p - q) + 2dpq]$$

$$= q [a + d(p - q)]$$

$$\alpha_2 = -p [a + d(p - q)]$$

ويكون متوسط تأثير الجين (أو α) كما يلي:

$$\alpha = a + d(p - q)$$

وتكون العلاقة بين α ، و α_1 ، و α_2 كما يلي:

$$\alpha = \alpha_1 - \alpha_2$$

$$\alpha_1 = q \alpha$$

$$\alpha_2 = -p \alpha$$

قيمة التربية

إن قيمة التربية breeding value لفرد ما هي الجزء من قيمته الوراثية genotypic value الذى يحدد متوسط أداء نسله. وتتحدد قيمة التربية للفرد بجمع متوسط تأثير جيناته المتحكمه فى الصفة، وهى تعرف كذلك بالتأثير الإضافى للجينات.

وتتحدد العلاقة بين متوسط تأثير إحلال الجين average effect of a gene substitution مع درجة السيادة عند الموقع الجيني بالمعادلة التالية:

$$\alpha = a + d(q - p)$$

حيث إن:

α = متوسط تأثير إحلال الجين

a = الفرق بين التركيب الوراثي الأصيل ومتوسط التركيبين الوراثيين الأصيلين (+a أو -a)

d = الفرق بين التركيب الوراثي الخليط ومتوسط التركيبين الوراثيين الأصيلين
 p و q = نسب الأليلين في العشيرة.

وفي غياب التفاعل فإن مجموع متوسط تأثير جينات الفرد المتحكممة في الصفة الكمية يساوى قيمة التربية التي يُتَّحَصَلُ عليها بتزاوج الفرد مع عشيرة ما، مع حساب انحراف أداء النسل عن متوسط العشيرة.

وتحسب قيمة التربية breeding value لكل تركيبة وراثية، كما يلي:

قيمة التربية	التركيب الوراثي
$2\alpha_1 = 2q \alpha$	A_1A_1
$\alpha_1 + \alpha_2 = (p - q) \alpha$	A_1A_2
$2\alpha_2 = -2p\alpha$	A_2A_2

وتحسب قيمة التربية في حالة وجود أكثر من أليلين على أساس أنها تمثل مجموع تأثير أى أليلين يوجدان في التركيب الوراثي للفرد، وهي تمثل جزءاً من القيمة الوراثية للفرد، وهو الذى يحدد قيمة النسل أو سلوكه.

ويمكن توصيف العشيرة بمقدار التباين الوراثي الذى تحتويه وأنواعه ويعتمد التحسين الوراثي لأى صفة كمية على الانتخاب الفعال بين الأفراد التى تختلف في قيمتها الوراثية genotypic value. وتمثل الاختلافات في القيم الوراثية التباين الوراثي للعشيرة

وراثة العشائر وتطبيقاتها في مجال تربية النبات

ويمكن تحديد القيمة الوراثية إما على أساس الجين الواحد، وإما كدالة على جميع الجينات التي تتحكم في الصفة الكمية في الفرد الواحد.

ففي حالة القيمة الوراثية للموقع الجيني الواحد تكون:

$$G = A + D$$

حيث إن:

G = القيمة الوراثية genotypic value.

A = قيمة التربية breeding value (أو التأثير الإضافي للجين).

D = الانحراف الذي يرجع إلى السيادة dominance deviation.

ويقدر الانحراف الذي يرجع إلى السيادة من المعادلة السابقة، إذ إنه يمثل الفرق بين القيمة الوراثية وقيمة التربية.

وتكون القيمة الوراثية لجميع الجينات معاً، كما يلي:

$$G = A + D + I$$

حيث إن:

A = مجموع قيم التربية للجينات المختلفة.

D = مجموع الانحرافات العائدة إلى السيادة.

I = مجموع الانحرافات العائدة إلى التفاعل بين الجينات غيرالآليلية epistatic deviation.

ويقال عند غياب D ، و I أن الجينات ذات تأثير إضافي، إذ يعنى الفعل الإضافي للجين additive gene action إما غياب السيادة بالنسبة للآليلات في الموقع الجيني الواحد (الجينات الآليلية)، وإما غياب التفوق بالنسبة للجينات غير الآليلية.

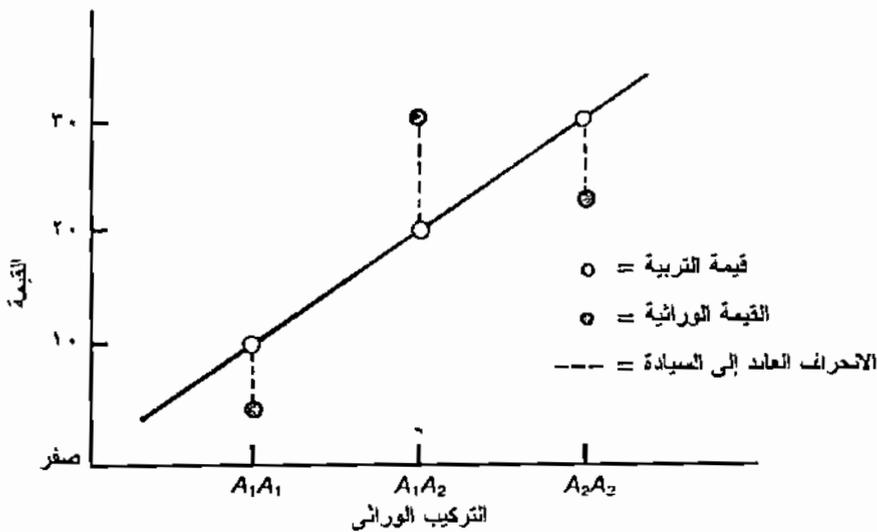
انحراف السيادة

إن الانحراف الذي يرجع إلى السيادة (اختصاراً: انحراف السيادة) dominance deviation عند موقع جيني ما هو الفرق بين القيمة الوراثية (G) وقيمة التربية (A) لهذا الفرد، كما يلي:

$$D = G - A$$

ويمثل انحراف السيادة تفاعل الآليات عند الموقع الجيني الواحد intralocus interaction

وبوضح شكل (١٢-٢) العلاقة بين كل من قيمة التربية breeding value (أو التأثير الإضافي additive effect)، وانحراف السيادة dominance deviation (أو تأثير السيادة dominance effect)، والقيمة الوراثية genotypic value (عن Fehr ١٩٨٧)



شكل (١٢-٢) العلاقة بين القيمة الوراثية genotypic value، وقيمة التربية breeding value، والانحراف العائد إلى السيادة dominance deviation value

ويمكن بيان العلاقة بين القيم التي سبقت دراستها كما يلي

التراكيب الوراثية	A_1A_1	A_1A_2	A_2A_2
النسب	p^2	$2pq$	q^2
القيمة الخاصة بالتراكيب الوراثية	a	d	$-a$
الانحراف عن متوسط العشيرة			
القيمة الوراثية	$2q(a - pd)$	$a(q - p) + d(1 - 2pq)$	$-2p(a + qd)$
قيمة التربية	$2q(\alpha - qd)$	$(q - p)\alpha + 2pqd$	$-2p(\alpha + pd)$
الانحراف العائد إلى السيادة	$-2q^2d$	$2pqd$	$-2p^2d$

هذا . مع العلم بأن القيمة الوراثية قد عبر عنها بقيمة (d)، أو بقيمة (α)، وعبر عن الانحراف العائد إلى السيادة في صورة (d)، علماً بأن (d) = صفراً في غياب السيادة، حيث تتساوى القيمة الوراثية مع قيمة التربية

تفاعل التفوق

إن القيمة الوراثية لفرد ما في صفة كمية يمكن أن تتأثر بالتفاعل بين الآليلات في المواقع المختلفة، وهو ما يعرف باسم تفاعل التفوق epistatic interaction (أو interlocus interaction) وفي غياب التفوق فإن القيمة الوراثية لكل الجينات المتحكمة في الصفة تساوى مجموع القيم الوراثية لختلف الجينات. لكن في وجود التفوق فإن الأمر يختلف بسبب التفاعل الذي يحدث بين آليلات مختلف المواقع الجينية

إن أنواع تفاعلات التفوق التي يمكن حدوثها في صفة كمية يتحكم فيها زوجان من العوامل الوراثية هي: - إضافي additive x إضافي، وإضافي x سيادة dominance، وسيادة x سيادة وبالنسبة لثلاثة جينات فإن أنواع التفاعلات تزداد، وتتضمن إضافي x إضافي x إضافي، وإضافي x إضافي x سيادة . إلخ. هذا مع العلم بأن كلمة additive تشير إلى قيمة التربية، وكلمة dominance تشير إلى انحراف السيادة. ويعنى ذلك - في حالة صفة كمية يتحكم فيها زوجان من الجينات - أن التفاعل الإضافي x إضافي - مثلاً هو التفاعل بين قيمة التربية عند الموقعين الجينيين، وأن التفاعل الإضافي x سيادة هو التفاعل بين قيمة التربية في أحد المواقع وانحراف السيادة في الموقع الآخر، بينما التفاعل سيادة x سيادة هو التفاعل بين انحراف السيادة في الموقعين. وعند وجود ثلاثة (أو أكثر) من المواقع الجينية التي يوجد بينها تفوق، فإن التفاعلات يمكن أن تكون إضافي x إضافي x إضافي، أو إضافي x إضافي x سيادة ... إلخ

استخدام القانون في تقدير مكونات التباين الوراثي

إن مكونات التباين الوراثي تتحدد بالعشيرة التي يُحصل منها على تقديرات تلك المكونات، فنجد أن القيم الوراثية، وقيم التربية، وانحرافات السيادة، وتفاعلات التفوق تتأثر جميعها بدرجة السيادة في الموقع الواحد، ونسب الآليلات في العشيرة