

## الجولة الرابعة:

### مع إنزيمات القطع والتحديد وتكوين الرغليبات:

بدأت في عامي ١٩٧٨م، ١٩٧٩م دراسات قام بها «دافيد بوتشتاين» من معهد ماساتشوستس التكنولوجي في ذلك الوقت ثم انتقل بعدها لجامعة ستانفورد، وكان معه مجموعة من الباحثين، واستنتج من هذه الدراسات أنه نتيجة لاستعمال إنزيم تحديد على الدنا الوراثي (والتي تم اكتشافها في عام ١٩٧٠م) لبضعة أشخاص ينتج زمراً من الشظايا (قطع متباينة وغير متساوية الأطوال) تختلف أحياناً اختلافاً بيناً من فرد إلى آخر.. على عكس المتوقع وهو أن تُقطع هذه الإنزيمات عند مواقع محددة تنتج أطوال متساوية.. ولكن النتيجة توضح أن هذه الإنزيمات تعرفت على الأماكن التي تُقطع بها (وهي تسمى مواقع البتر التي تتعرف عليها إنزيمات التحديد {Recognition Sites} ذلك في أماكن متفرقة بالدنا وهي تختلف من شخص لآخر.. فقطعت عندها؛ لذا نتجت أطوال غير متساوية.. وفي ضوء بحث العلماء عن تفسيرات تفسر السبب في اختلاف «مواقع أو أماكن» تعرف الإنزيمات القاطعة؛ نجدهم عللوا لعدة أسباب:

- ١- إما لأسباب طبيعية تحدث للكروموسوم أثناء عملية الانقسام وهي خاصية العبور بينه وبين الكروموسوم الأخرى المقابل له فيتبادل الأجزاء بينهما.
- ٢- أن موضع «مواقع التحديد» موضع التتابعات التي يعرفها الإنزيم تتباين من شخص إلى آخر بسبب حدوث طفرات حدثت في تتابعات النيوكليوتيدات بشرط الدنا لهؤلاء الأفراد (وعلى وجه الدقة في تتابعات القواعد).
- ٣- إما السبب طبيعي أو يتدخل ملوثات ومؤثرات عديدة من البيئة. ولقد أُطلق على هذه الزمير من الشظايا مصطلح «الرغليبات»؛ وبما أن هذه الرغليبات تتباين من شخص إلى آخر. (كما سبق وذكرنا بأعلى) بسبب طفرات حدثت في تتابعات القواعد، فهذا يعني أن كل رغليبات يعادل طفرة، بل هو طفرة. ولقد أتاحت هذه الاكتشافات (التي قام بها دافيد بوتشتاين وغيره) الفرصة إلى إيجاد مجال جديد وفريد للتباين بين الأفراد يمكن الاستفادة منه.. «وهو ما سنعرفه بعد قليل».

فالرفليبات إذن (RFLPS) هي: كلمة مختصرة من مصطلح أطلقه الباحثون على زمر من شظايا الدنا والمصطلح الأساسي هو: Restriction Fragment length polymorphisms ومعناها هو: «تباينات طول شظايا التحديد» أو الرقليبات. أو (التباين بين الأفراد في حجم شظايا الدنا التي تقطعها إنزيمات تحديد معينة، ولقد أمكن تحديد مواقع نحو ٣ آلاف رقليب مبعثرة على طول كروموزومات الجينوم البشري، أمكن رسم خرائط توضح مواقعها لتصبح بمثابة مجموعة ضخمة من الواسمات تشكل شبكة موزعة على الكروموسومات البشرية يمكن أن ننسب إليها الجينات وأن نخرطنها (وستلقى عليها مزيداً من الضوء بعد قليل).

والسؤال الذي يتبادر للذهن هو:

١- هل تختلف الرقليبات في نفس الشخص كما قد تختلف بين الأفراد؟ وكيف تم الاستفادة منها؟ وهل ظهر ما هو أحدث من الرقليبات؟ وكيف تم الاستفادة من الأحداث؟! وسنجيب عن هذه الأسئلة. بالترتيب..

أولاً: الدور الذي تلعبه إنزيمات التحديد والاختلاف في نفس الفرد،

سبق وأن عرفنا من الجولة الخاصة بإنزيمات التحديد أنه يوجد على جديتي الدنا مواقع تعرف "recognition sequences"، وعندما يعثر إنزيم التحديد المعين على موقعه الخاص (مواقع تعرفه الخاصة به). والمتفرد بشرط الدنا الوراثي (المأخوذ من شخص ما)، فإن هذا الإنزيم ييتر الدنا في الموضع بالضبط، وكأنه (أى الإنزيم) مقصص صغير منمم.. وتشظى إنزيمات التحديد جينوم أى كائن حتى إلى عدد كبير من القطع قد يصل في الإنسان إلى ما يزن قطعة وتتراوح أطوال هذه الشظايا (أو المُرَق) ما بين عشرات الآلاف وبضع آلاف من أزواج القواعد.

ومن خلال الدراسات العديدة والمتواصلة استتج الباحثون أنه عند استخدام إنزيم تحديد معين على مقطعي دنا "DNA Segments" من نفس الموقع في كروموزومين شقيقين لفرد، يحمل كل منهما أليلاً مختلفاً لجين.

والآليل Allele: واحدة من صور بديلة متعددة للجين ويشغل موقعاً محددًا على الكروموسوم يرث الفرد آليل واحدًا لكل موقع من كل من الأبوين وبذا يحمل

كل فرد أليلين لكل جين { إن الشظايا الناتجة من البتر قد تختلف طولاً (قطع متباينة وغير متساوية الأطوال) ذلك أن أحد الأليلين قد يحمل حروف تتابع التعرف، فيُبتَر عنها، بينما لا يحملها الأليل الآخر فينبجو من البتر، ومن بين التفسيرات لسبب هذا الاختلاف أنه: - نتيجة لحدوث طفرة في موقع القطع تسببت في عدم تعرف إنزيم التحديد على الموضع فلم يقطع، وأضف إلى ذلك الاختلاف في نفس الفرد، اختلاف آخر ولكنه بين الأفراد؛ فقد يختلف فردان في مكان الموقع الذي يقوم فيه إنزيم تحديد معين بقطع الدنا، ونتيجة لذلك سيتباين طول شظايا الدنا الناتجة من الشخصين باستخدام إنزيم تحديد واحد على نفس المنطقة الكروموزومية، ويستفيد الباحثون من كل ما سبق ذكره من اختلافات كثيراً ومنها أن ثمة اختلافات يمكن كشفها بين الأفراد عند سلسلة الدنا تُظهرها الرفلييات، لكنها لا تظهر في شكله الخارجي (الذي تستخدمه خرائط الارتباط). ومعنى ذلك أن المظهر الواحد (الذي قد يكون مرضاً وراثياً) قد ينجم عن أليلات مختلفة دناوية كلٌّ منها ينشأ عن طفرة mutation في مكان مختلف من نفس الجين تفسد عمله. أيضاً من الممكن أن تستخدم الفروق في حجم الشظية نتيجة استخدام إنزيم تحديد يبتَر دنا شخصين أو عدة أشخاص { في تمييز فرد عن آخر، وكروموسوم عن آخر، وهذه الفروق (الرفلييات) تمتاز بأنها تورث، مثلما الجينات بطريقة مندلية عادية، ونظراً لما سبق من خصائص فإن الباحثين يمكن أن يستعملوا الرفلييات ويستفيدوا منها كواسمات في دنا الفرد، بل هناك من يُطلقون عليها نفس المصطلح أي أنها {واسمات دنا عديدة الصور - أو بوليمورفية، «إذا استخدمنا مصطلح علم الوراثة»، {أالبوليمورفية «تعدد المظهر» Polymorphism هي: اختلاف في تتابع دناوى بين الأفراد والتباينات الوراثة التي توجد بالعشيرة بنسبة تزيد على ١٪ تعتبر بوليمورفيات مفيدة لتحليل الارتباط الوراثةي.

«تقدمت البحوث في هذا المجال كثيراً منذ سبعينات القرن العشرين وحتى بدايات القرن الواحد والعشرين، وأصبحنا نجد أنواعاً كثيرة من واسمات لا تتطلب إنزيمات التحديد وتقوم أيضاً بمهمة تحديد هوية مناطق خاصة في الدنا».

وبما أن كل رفليب سبق وذكرنا أنه طفرة فإنه يمكن تتبعها بتحليل الدنا في الأجيال المتتابعة بل ومن الممكن أن تستخدم فكرة العبور وخرائط الارتباط في تحديد مواقع الرفليبات: كلما تباعدت مواقعها على الكروموسوم ازدادت نسبة العبور بينها. بل وقد يمزج بين مواقع الجينات في هذا الشأن؛ فنقدر المسافة بين كل رفليب وجين. ولقد أفاد الرفليبات كثيراً في تشخيص العديد من الأمراض الوراثية، بل إن رفلياً قريباً جداً من جين مرض ما قد يصلح كدليل قوى إلى تشخيص مرض وراثي «وسنذكر بعد قليل أمثلة لاستخدام الرفليبات في الأمراض الوراثية».

مواقع تعرف إنزيمات التحديد

"Restriction Enzymes Cleavage Sites":

قد توجد مواقع التعرف في جوار الجينات، وليس بالضرورة في تابعها المشفر، فقد لجدها في تتابعات التنظيم وفي الإنترونات introns كان يُعتقد أنها مناطق لغو لا تُشفر لشيء نعرفه (لكن هناك بواذر تفيد بأهميتها الآن)، وفي سقط الدنا Junk DNA.

أمثلة للاستخدامات المتعددة للرفليبات:

ومن بين هذه الأمثلة نذكر سبعة استخدامات وهي:

أولاً؛ اعتبار مجموعة الشظايا التي يخلفها إنزيم التحديد من الخصائص المميزة لهذا الجينوم.

ثانياً؛ عندما تصبح الرفليبات شبكة من الواسمات والبحث عن جين مرض هتنتجون.

ثالثاً؛ استخدام الرفليبات في الكشف عن أمراض أخرى.

رابعاً؛ فوائد أخرى للخرطنة الوراثية مثل القدرة على تطوير أدوية خاصة بكل فرد.

خامساً: الاستفادة من أحد الإنزيمات في الكشف عن جين مرض وراثي بالحيوان.

سادساً: في البحث عن أصول الإنسان.

سابعاً: في إنشاء مكتبة للجينوم البشري.

وفيما يلي نلقى الضوء على كل مثال:

أولاً: إن مجموعة الشظايا التي يخلفها أى إنزيم تحديد بعد عمله على جينوم أى كائن، تعتبر من الخصائص المميزة لهذا الجينوم، ومن الممكن بسهولة إذا كان حجم الجينوم صغيراً أن تستخدم فى رسم خريطة فيزيقية له، أما إذا كان حجم الجينوم كبيراً، فمن الممكن أن يُستعان بالكمبيوتر لرسم مثل هذه الخريطة، وفى أحد الأوقات تم بالفعل تطوير تقنية تؤتمت تحليل بوليمورفية الدنا باستخدام محطة عمل روبوتية يمكنها أن تتعامل مع أطباق بكل ٩٦ نقرة صغيرة - وبذا ففى المقدر أن تحلل ٩٦ واسماً وراثياً فى نفس الوقت أوتوماتيكياً. مكنت هذه الإجراءات من: (١) تكثير مقطع الدنا المطلوب اختباره للبوليمورفية عن طريق تفاعل البوليميريز المتسلسل. (٢) تحليل البوليمورفات لتحديد الصور الموجودة. (٣) قراءة النتائج أوتوماتيكياً وتخزينها مباشرة فى الكمبيوتر.

ثانياً: عندما تصبح الرفليبيات شبكة من الواسمات واللدالات الوراثية أو:

[خريطة الجينات باستخدام الواسمات الرفليبيات والبحث عن جين مرض هنتجتون]؛

١- كانت سلسلة القواعد مهمة عسيرة؛ فقد تطلب الأمر فى عام ١٩٧١م ستين لتحديد تتابع طوله ٢٠ زُقاً لا أكثر لذا كانت حيرة الباحثين فإذا كان الأمر قد تطلب ستين لتحديد تتابع الـ ٢٠ زُقاً فكيف يتسنى لهم سلسلة ٣٠٠٠ - ٣٥٠٠ مليون زق؟

٢- ومن خلال الأبحاث الناجحة التى استهدفت الرفليبيات؛ منذ نهاية السبعينات من القرن الماضى، رأى عدد من الوراثيين ومن بينهم البيولوجى «دافيد بوتشتاين» وعدد آخر من زملائه أهمية حُسن الاستفادة من التباينات الموجودة فى أى مكان مجاور للجين، وأنه يمكن استخدامها كدالات قريبة من الجينات للكشف عن

الجينات المطلوبة ومنها تلك الجينات المتسببة في حدوث الأمراض، ذلك لأن الرفليات مُبعثرة عبر كل الكروموزومات، وبالتالي فيمكن أن تحمل الرفليات محل الواسمات، أي محل جينات الصفات المظهرية التي بنى عليها مورجان مثلاً خرائط العبور في حشرة الدروسوفيلا والتي تتألف من تتابع معين من القواعد، وهكذا تُستخدم الرفليات بنجاح كشبكة من الواسمات الوراثية، والتي يمكن أن تكون مرجعاً لوضع كل جين على الخريطة الوراثية. وبالفعل تم استخدامها أثناء البحث عن جين مرض كوريا هنتنجتون..

٣- ولقد كانت فكرة الخرطنة باستخدام الواسمات الرفلية جديدة تماماً في عام ١٩٧٩م وذلك أثناء البحث عن جين (مرض كوريا هنتنجتون أو رقص هنتنجتون (Huntington's chorea Disease).

٤- وعن هذا المرض نذكر:

أنه يُنسب اسم هذا المرض للطبيب الأمريكي الذي اكتشفه وهو [جورج سمنر هنتنجتون] وهو من الأمراض الوراثية التي تم دراستها وظهورها في الغرب ودرجة الإصابة به بمعدل «إ» من كل مائة ألف شخص).

ويحدث هذا المرض نتيجة عيب في جينة موروثة واحدة سائدة وليست متنحية مثل مرض تاي ساكس.

بداية ظهور المرض وأعراضه:

تبدأ في الظهور من سن ٣٠ - ٥٠ سنة وغالباً ما تستمر هذه الأعراض مع المريض وتزداد تدريجياً من ١٥ - ٢٥ سنة.. وهو لا يتقل إلا في نحو الأربعين أو بعد ذلك بفترة.. ومن أعراضه ظهور الاكتئاب والمتاعب النفسية ثم يفقد بعدها المريض قدرته على السيطرة على عضلاته وتظهر عليه حركات غير إرادية وغير متناسقة في الأطراف حتى أنه يصاب بالعجز وعدم النطق واضطرابات عاطفية، ويتطور المرض تحدث اضطرابات عاطفية واختلال عقلي مطرد وتشنجات تجعل المريض يُصاب بالاكتئاب الانتحاري والهذيان والجنون والصراخ المتواصل.

وفي عام ١٩٧٩م لم يكن ثمة من حدد بالفعل - وقتها - موقع جين باستخدام

واسمات الدنا، وإن كان ثمة من عشر على جينات بفضل الواسمات التقليدية - وهي  
{أنتيبيجات كرات الدم الحمراء}... ترى ماذا حدث؟

لا إتمام البحث عن جين مرض كوريا هنتنجنون؟

إن الذى حدث نحاول إلقاء الضوء عليه فى السطور التالية:

(أ) فى عام ١٩٧٩م بدأ مجموعة من الباحثين استخدام الدنا المطعم... ولم يكن  
معروفاً وقتها إلا واسم رفليسى واحد... ونذكر من مجموعة الباحثين: «جيمس  
جوزيلا J.Gusella» من كلية طب بهارفارد.

وكان لديه معمل فى بوسطن طور فيه رفليسات مشعة - وكانت معه «نانسى  
ويكسلر N.Wexler» {أخصائية العلاج النفسى والعصبى}. من جامعة كولومبيا -  
(والتي كان لديها اهتمام خاص لأن والدتها ماتت متأثرة بمرض كوريا هنتنجنون)،  
ومعهم عدد خاص من المعاونين... وعُهد إليها بتنفيذ برنامج بحثى عن المرض  
والسفر إلى فنزويلا حيث ابتليت بهذا المرض إحدى العائلات هناك.

(ب) ولقد عمل هذا الفريق البحثى فى وقت لم يكن الادعاء فيه بوجود آلاف  
الواسمات بالجينوم البشرى يقع بعض منها قرب جين يهتم المختصين إلا أمراً نظرياً  
مبنيّاً على ما تم التوصل إليه من نتائج الأبحاث على أنواع من كائنات أخرى.

(ج) وبالفعل ذهب الفريق العلمى للبحث عن المرض والذى كان شائعاً فى ٣  
قرى على شواطئ بحيرة ماراكايبو بفنزويلا، واستمر العمل عدة سنوات من العمل  
الشاق المتواصل، وتم من خلال الدراسة المتأنية معرفة وتعقب أصل المرض (أى تتبع  
المسئول عن توارث هذا المرض عبر عدة أجيال) حتى وصلوا للعقد الأول من القرن  
الماضى وكانت امرأة تسمى ماريا كونسبسيون M. Consercion، وهذه السيدة  
وصل عدد أحفادها إلى ١١ ألف منهم ٩ آلاف على قيد الحياة.

(د) وأتاح ذلك الفرصة لأخذ عينات من دمائهم لفحصها باستخدام المجس  
الوراثى المناسب الذى تم التوصل إليه بمعمل جيمس جوزيلا الذى كان قد طور  
طريقة الرفليسات بالواسمات المشعة.

وكان من نتائج هذه المجموعة البحثية ما تم نشره:

أولاً فى سنة ١٩٨٠م، عندما نشرت الأبحاث الأساسية عن الخريطة الرقلىبية للچينات، وكان عدد الجينات البشرية التى وضعت على الخريطة هو ٤٥٠؛ حيث كانت الخريطة أساساً بالطرق السيتولوجية. وأدت الأبحاث المكثفة خلال هذه الفترة إلى الاعتقاد بإمكانية استخدام الرقليات فى كشف جينات الأمراض، فقد يوجد الواسم الرقلىبى فى صورة على كروموسوم طبيعى وفى صورة أخرى على الكروموزوم الحامل لچين المرض. فإذا كانت الصورة الأخيرة وثيقة الارتباط بالچين، فإن العثور على الرقلىب يعطى الإشارة بوجود الجين. وتكون الخطوة التالية هى حساب بعده التقريبى عن الرقلىب الواسم، الأمر الذى يمهّد الطريق إلى تعقب الجين، والچينومات البشرية متعددة الصور إلى حد بعيد...؛ ثمة واحدة من بين كل خمس قواعد تختلف بين أى فردين، (ويبلغ طول الجينوم البشرى حوالى ٣٣٠٠ ستيمورجان).

(هـ) ووفقاً لذلك فإذا ارتبط جين هتنتجتون فى دنا المرضى برقلىب مُشع معين كان ذلك معناه أن الجين قريب من هذا الرقلىب، ولقد نجح الفريق البحثى من خلال توظيفه الخريطة الرقلىبية فى الكشف عن وجود الجين الخاص بمرض هتنتجتون، وأعلن عن هذا الفتح فى نوفمبر من عام ١٩٨٣م. حيث أثبتوا أن المرضى من أفراد العائلات - (التى فحصوها) - نموذجاً يميزاً من الرقليات كما اتضح أن لدى البعض من الأقارب (لهذه العائلة) ممن لم يُصِبهُم المرض بعد نفس نموذج الرقليات المميز، (ولقد أصابهم المرض فى نهاية الأمر) وحدد الباحثون موقع الجين المسبب للمرض بأنه يقع على الطرف الأعلى للذراع القصير للكروموسوم الرابع). وأصبح من الممكن باستخدام المسبر الملائم كشف وجوده فى (دنا) أى شخص.

(و) لقد عزز ذلك التقرير - بما يحمله وقتها من إثارة بالغة وفريدة - من الجهود الجارية للخريطة بالرقليات؛ بعدما كانت الفكرة المسيطرة على أذهان الباحثين خلال هذه المرحلة الزمنية. (وفى ضوء الإمكانيات المتاحة وقتها) - أن خريطة الجينوم البشرى تتطلب تعقب الكثير من الواسمات والچينات وهى تتحرك عبر الأجيال -

كمثل المسبر «ج ٨» وچين هنتجتون، وحفّز هذا التقرير الباحثين على القيام بدراسات جديدة لدراسة الأمراض والعلل والتي منها ما يفترض أن يكون وراثياً، ومنها دراسات استغلت العائلات من هذه العشيرة في رسم خريطة واسمات للكر وموسوم ٢١-، وكانت الخريطة مفيدة في تحديد موقع جين مرض الزهايمر، وموقع جين مرض التصلب الجانبي الضامر (مرض لو جيريج) وفي رسم خريطة لكل من الكروموزومين {١٧، ٢٢} حيث تقع جينات تسبب صورتين من الورم الليفي العصبي، وفي رسم خريطة للكر وموسوم {١١} استُخدمت في البحث عن موقع محتمل لمرض الهوس الاكتيبي. ولقد اختبرت مائة عائلة أو أكثر على طول العالم وعرضه - في أوروبا وأمريكا الشمالية والجنوبية، وحتى في بابوا، غينيا الجديدة، وكان چين هنتجتون فيها جميعاً على نفس الموقع على الكروموسوم الرابع، ونذكر من بين تلك العائلات قصة الأمريكية «جوليس كوريفار» والتي مات جميع أفراد أسرتها بمرض هنتجتون والذي من بين ما يسببه هو إصابة خلايا المخ بالضمور، ورغم الاستفادة من تلك الوسيلة العملية للتعقب بحدوث هذا المرض.. وكانت نتيجة الاختبار سلبية فإن (كوريفار) خرجت من هذه التجربة محطمة تماماً.

ولم يكشف عن تركيب الطفرة المسببة لمرض هنتجتون إلا في عام ١٩٩٣م، وكان عبارة عن امتداد يميز لثلاثية من القواعد هي: (س أ ج) - تتضاعف داخل الجين مع تقدم عمر المريض فتفسد عمل البروتين الناتج عنه، وهكذا تظهر الأعراض القاتلة على المريض.

(ز). أيضاً يُذكر أن البروتين الذي يكود له الجين المسبب للمرض، يطلق عليه اسم بروتين «هنتجتين» والعلماء يعرفون الآن أن هذا البروتين في حالته الغير سوية هو المسئول عن تدهور الأعصاب ويعرفون كيف يفعل وكيف يسبب لعصب واحد بمفرده أن يموت.. لكن لا زال العلماء يجهلون وظيفة هذا البروتين وهو في حالته السوية.

(ح) والجدير بالذكر.. أن الباحثين قد تمكنوا؛ على منتصف الثمانينات، وبعد

توظيف مناهج الرفلين، من الوصول بعدد الـجينات التي تم خريطتها باستخدام  
الواسمات الرفلية إلى ١٥٠٠ جين (أى تضاعف العدد ثلاث مرات).

ثالثاً، استخدام الرفليبيات في الكشف عن أمراض أخرى؛

لقد أثمرت نفس الطرق عند تطبيقها على مرض التليف الكيسي ومرض الكلية  
متعدد الأكياس، وحثل دوتشين العضلى، وغيرها، أمكن بهذه الطريقة، فى حالات  
كثيرة تحديد الكروموسوم الذى يقع عليه الجين. وبالتالي أعطى هذا الموضوع الضوء  
الأخير للوراثين لإمكانية الاستفادة من الرفليبيات فى خريطة الجينوم البشرى (إلا  
أنه تطورت التقنيات وأصبح هناك أدوات أسرع وأعدت تم استخدامها فى مشروع  
الجينوم) وترتب على ذلك المزيد من الجهد أملاً فى إمكانية عزل الجين نفسه المسبب  
للمرض وتحديد نتابعاته ومن ثم تحديد هوية ما يتجه، والتوصل لطريقة عمل الجين  
وليتلقى مع تقنية مثل العلاج الجينى بما يتيح وسائل علاجية أفضل.

رابعاً، فوائد أخرى للخريطة الوراثية؛

ومن بين فوائد الخريطة الوراثية نذكر أيضاً القدرة على تطوير دواء مُفصّل  
خصيصاً للفرد: «عقاقير بلا آثار جانبية»: إذ أنه كثيراً ما ترجع الآثار الجانبية للعقاقير  
إلى اختلافات حقيقية فى استجابة الفرد إلى المادة الكيماوية، ففى التباين بين الأفراد  
من الاتساع ما يسمح بوجود بيوكيميا مختلفة. وعلى سبيل المثال هناك جين متنح فى  
العشائر الأوروبية يتحكم فى الحساسية لعلاج ضغط الدم المرتفع ونسبة من تظهر بهم  
هذه الصفة فى تلك العشائر هى (٥٪) وهؤلاء لا يمكنهم استخدام علاج ضغط الدم  
إلا بكميات فى حدود (١٪) من الجرعة العادية. والتصنيف الوراثى لمثل هذه الفروق  
سيثمر أدوية جديدة تلائم مرضى معينين.

ومما ساعد على تحقيق الأمل فى الوصول لخريطة وراثية للجينوم البشرى ما تم  
من خلال تطوير تقنية صيغ كيميائية تُفرّق بوضوح كامل بين كل كروموسوم والآخر  
إذ نجد أن لكل كروموسوم نمطاً من الشرائط اللاصقة يميزه عن غيره مما أعطى

الباحثين الأمل وقتها في إتاحة الفرصة بمزيد من الأبحاث لرد جينات بذاتها إلى كروموسوم بذاته بطرق خاصة في زراعة الخلايا.

خامساً، الاستفادة من أحد إنزيمات التحديد في الكشف عن جين مرض وراثي بالحيوان،

ظروف المرض،

هو مرض بومب Pompe disease، وهو مرض وراثي يسبب ضموراً خطيراً في العضلات يؤدي بحياة العجول بعد الفطام بنحو ستة أشهر، ووراء هذا المرض جين متنح يتسبب في الأفراد الأصلية له في عجز الجسم عن إنتاج إنزيم ألفا جلو كوسيديز alpha glucosidase الذي يحرر الجلوكوز من الجليكوجين ليستخدمه الجسم في إنتاج الطاقة. وعندما يرث الحيوان تركيباً وراثياً أصيلاً بهذا الجين المتنحى يموت مبكراً، بينما تعيش الأفراد التي تحمل الجين المعيب مع الجين الطبيعي (خليط heterozygotes) وتبلغ نسبتها في عشيرة الماشية نحو ١٥٪. وبالطبع فذلك يؤدي لإصابة مربي الماشية بالخسارة ومن المهم بالنسبة له ألا يحدث تزاوج بين فردين خليطين يحمل كل منهما الجين المعيب لزيادة المخاوف من احتمال أن ريع النسل الناتج سيقتله المرض.

وتتجه الأنظار لما يقدمه العلم هنا من حل لهذه المشكلة..

العثور على إنزيم تحديد وبدائية حل المشكلة،

حيث عثر الباحثون على إنزيم تحديد مناسب هو إنزيم (MSPI) له داخل الجين الطبيعي موقع تعرف - أما الجين المعيب فيحمل طفرة نقطية واحدة (تحليل حمض البرولين في البروتين الذي يشفر له الجين الطبيعي، إلى حمض جلوثامين) في موقع التعرف هنا، فلا يميزه الإنزيم.

لذا تختلف نتائج التشظية بالإنزيم بين الأفراد الأصلية للجين الطبيعي. وبين حاملي جين المرض. أمكن إنتاج المسبر المشع لكشف الجين المرضى، وغدا من الممكن في ظرف ساعات - عن طريق دنا مأخوذ من خلايا الدم كشف وجود الجين من عدمه.

سادساً، هي البحث عن أصول الإنسان باستخدام الرقليبيات وإنزيمات التحديد؟

س: كيف تدخل علماء الوراثة في مناقشة أصل الإنسان؟ وما هو دور إنزيمات التحديد؟!

(ج) تدخلوا من خلال دراسة التنوع الوراثي للجماعات البشرية الحالية، وبالنسبة إلى هذه الجماعات وُجد أن الجينة ذاتها أو حتى الجزء ذاته من الدنا يظهر بعدة أشكال، وأن الجينات المغايرة (الألائل alleles) تظهر كذلك تنوعاً (في حالة الجينات المكودة، تكود الألائل بروتينات وظيفية تكون مختلفة بعضها عن بعض، ومع ذلك تؤمن الوظيفة نفسها). وهذا التنوع في الواقع الاعتقاد الشائع له الآن أنه نتيجة طفرات في الدنا حدثت في الماضي، وتراكمت مع مرور الزمن، وأصبحت متكررة الحدوث نوعاً ما في الجماعات البشرية. ومن المفيد هنا أن يقوم هؤلاء الباحثون المتخصصون بتحديد كمية الطفرات المتراكمة في تسلسلات الدنا لأفراد مختلفين موجودين حالياً، مما يسمح بعرض تاريخ تعاقب هذه التسلسلات من جهة ومن جهة أخرى سمح بتقدير مدى اختلاف تكرار الألائل بين الجماعات المتنوعة الحالية، مما يمكن من إعادة صياغة التاريخ الوراثي لهذه الجماعات.

ولقد درس علماء الوراثة هذا التنوع على مستوى البشرية المنتشرة على كوكب الأرض. ومنذ سنة ١٩٨٠م تحققت معرفة الاختلافات الوراثية باستخدام «إنزيمات التحديد restriction enzymes» التي تقطع عادة جزيء الدنا في مواقع خاصة يطلق عليها «مواقع التحديد» كما أن وجود مثل هذه المواقع أو غيابها على امتداد جزيء الدنا يختلف من شخص لآخر وبالتالي تقوم إنزيمات التحديد بإنتاج شوب من الدنا بأطوال مختلفة بحسب الشخص. وفي عام ١٩٩٠م أصبحت التقانات المستخدمة في التحاليل الوراثية أكثر إتقاناً، مما سمح للباحثين بتنسيق النيوكليوتيدات وترتيبها إلى وحيدات تشكل جزيء الدنا؛ أي: أصبح بالإمكان معرفة التنوع الوراثي بشكل أدق (حتى بين نيوكليوتيدة ومجاورة).

سابعاً: إنشاء مكتبة للجينوم البشري؛

حيث يستطيع العلماء بواسطة استخدام إنزيمات التحديد أن يشظوا الجينوم البشرى بأكمله إلى مئات الآلاف من الشظايا، يمكن أن تفصل تبعاً للحجم باستخدام تقنية التفريد الكهربى Electro phoresis، وأن يتم إيلاج كل شظية فى بكتيريا أو خلية خميرة مناسبة ليُخزن بها، لينشوا مكتبة كاملة للجينوم يمكن سلسلتها قطعة قطعة.

#### الجولة الخامسة:

ما بين الرفليبيات والفتترات والتوصل للبصمة الوراثية؛

أولاً: تمهيد؛

كان التوصل إلى تكوين الرفليبيات من الدنا الوراثى من أكثر النتائج نفعا وإفادة بعدما تمكن الباحثون من اكتشاف إنزيمات القطع والتحديد واستخدموها فى قطع المادة الوراثية ، وباستمرار سعى الباحثين وجهودهم المبذولة فى فترة الثمانينات توصلوا لنوع منها أسموه (مواقع العدد المتباين من المكررات الترادفية وهى ترجمة عربية للمصطلح بالإنجليزى وهو: - "Variable number of repeats" وتُقرا مختصرة { VNTR<sub>s</sub> } ونقرؤها باللغة العربية الفترات.

تُرى ما هى حكاية الفترات؟! !! معاً نتقل للنقطة الثانية لتعرف ..

ثانياً: علماء الطب الشرعى يفضلون الفتترات؛

والإجابة تأخذها من نتائج أبحاث العلماء فى هذه الفترة حيث توصلت إلى أنه كثيراً ما يحدث أن يقع جينوم الكائن الحى على تتابع بلا معنى (يعتقدون أنه بلا معنى لكن ظهر أن له أهمية)، تتابع مؤلف من عدد يتراوح عادة ما بين زوجين و ٦٠ زوجاً من القواعد فيكرره مرات ومرات متجاورة يختلف عددها كثيراً بين الأفراد ويتراوح ما بين ٣ - ٦٠ مرة، وإذا ما بتر دنا هذه الكروموسومات بإنزيم تحديد معين فإنه يقطع على جانبى مواقع المكررات وتتكون الشظايا، وهذه الشظايا الناتجة تختلف فى الحجم كثيراً بين الأفراد بسبب العدد المتغاير من المكررات التى يحملها كل<sup>٥</sup>.

وقد تحمل بعض الكروموزومات ٣٠ نسخة مترادفة، ويحمل غيرها ٣١ نسخة،

وهكذا. ولقد انجبه الباحثون وبخاصة علماء الطب الشرعى للعمل على الفترات واستخدامها باعتبارها رفليبات عالية البوليمورفية، وذلك كبديل عن استخدام الرفليبات العادية والسبب فى ذلك يرجع إلى أن الفترات تسهل التمييز بين الأفراد، لأنه يوجد عند الكثير من مثل هذه المواقع عشرات من الأطوال البديلة وبالتالي فهناك كثرة للتباين فى عدد المكررات بينهما، أما فى حالة الرفليبات العادية فهناك حذر وخوف من احتمال أن يحمل شخصان (عشوائياً) نفس النموذج من الرفليبات (عند نفس الموقع الرفليسى)، بمعنى أنه فى الرفليبات العادية نجد أن قطع الدنا الناتجة عن البتر يانزيم التحديد مستعمائل ما بين الأفراد، ما لم تكن طفرة قد أفسدت موقع التعرف، فلا تتسم الاختبارات بالدقة المطلوبة، بينما يمكن تحقيق الدقة المطلوبة والتمييز بدقة بين الأطوال المختلفة باستخدام الفترات.

### ثالثاً: تعيين البصمة الوراثية بعد ظهور الفترات؛

ولقد ترتب على ذلك أن أصبح بين يد الباحثين المختصين نظام فعال لتحديد بصمة الدنا.

أى أن هذه الفترات تخدم فى تعريف هوية ما يسمى بالبصمة الوراثية (Genetic Fingerprint)، والتي لا يمكن تزويرها أو إخفاؤها، وفى فترة نهاية الثمانينات والتسعينات كانت معظم معامل بصمات الدنا تكتفى باختيار أربعة مواقع من هذه الفترات، ويرى فيها علماء الطب الشرعى أنها كافية لتوفير قدر كبير من المعلومات عن الهوية فى ساحات القضاء.

وأصبح بالإمكان - بعد ظهور الفترات إجراء وتعيين البصمة الوراثية لمعرفة الجانى وذلك بأن تؤخذ عينة من مسرح الجريمة. يكون الجانى قد تركها كأن تكون نقطة دم أو شعرة أو .. إلخ، ثم تعرض لإنزيم تحديد يُشظى الدنا حول فتر فى العينة وكذا فى عينة أخرى من دم المشتبه فيه أو يستخدم التفاعل المتسلسل للبوليميريز فى تكثير فتر نعرف تتابعين على جانبيه نستخدمهما طبيعتين لكل من العيتين، وبعدها تُغمر شظايا كل من العيتين فى مسابر مشعة تحمل تتابعاً قصيراً من منطقة أحد الفترات، فتقترن بالتتابعات المكملة لتظهر شرائط مشعة تتطابق فى العيتين إذا كان

المشتبه فيه هو المجرم (من الممكن بهذه الطريقة تمييز عدد من المكررات في كروموزومى الفرد - فقد يختلف العدد في الكروموزوم الآتى من الأب عن الآتى من الأم). وعادة تُفحص أربعة مواقع لفتترات لتقليل احتمالات الخطأ.

ملحوظة، وإذا كنا عزيزى القارى قد تحدثنا عن البصمة الوراثية بصفة عامة على أنها نوعية عالية البوليموفية من الرفليبات وتسمى الفتترات وأنها مكررات وكان حديثنا هنا فى ضوء الاستفاده من إنزيمات التحديد (التي تحدثنا عنها باستفاضة)، فإننا سنتناول الحديث عن البصمة الوراثية بصورة أعمق، وكيف تم اكتشافها (قصة الاكتشاف)، وسيكون ذلك بعد التمهيد لها بالدخول للچين نبحت فى أغواره لنعرف المزيد عن البصمة الوراثية.. ومعه الجديده من أسرار الچين (سبحان الله).