

الفصل الثاني

جولات مع بعض العوامل البارزة والمؤثرة

سواء أكانت اكتشافات أو ابتكارات أو تجارب ونحوها، والتي أدت للدخول لعالم الهندسة الوراثية والنهوض والإسراع بها (منذ فترة الخمسينيات وحتى نهاية الستينيات ..).

مقدمة:

نظراً عزيزنا القارئ لغزارة الاكتشافات والابتكارات التي أمجّزها الباحثون والعلماء، والتي اجتمعت مع بعضها وتفاعلت لتتصنع بذلك عالماً خاصاً متألّقاً هو (عالم الهندسة الوراثية).. والتي تتسع وتزداد مجالاتها في كل يوم وتأتي بما يزيدنا إبهاماً وحيرة...؛ فلقد آثرنا أن نذكر (في الفصلين الثاني والثالث) بعضاً من هذا الفيض (العوامل البارزة والمؤثرة). ونلقى الضوء على دورها الفعّال وإسهاماتها الفعّالة في ميلاد تقنية الهندسة الوراثية والإسراع والنهوض بتقنياتها.

وسيزم الفصلان الثاني والثالث «عشر جولات» فنجد:

١- **الفصل الثاني:** ويضم جولات مع بعض العوامل المؤثرة والبارزة للدخول في عالم الهندسة الوراثية: (من فترة الخمسينات وحتى نهاية الستينات).

٢- **الفصل الثالث:** جولات مع بعض العوامل المؤثرة والبارزة للدخول في عالم الهندسة الوراثية (من بداية السبعينات وحتى الإعلان عن ميلاد الهندسة الوراثية).

٣- **الفصل الرابع:** وهي ٤ جولات.

الفصل الثاني:

بعض العوامل المؤثرة والبارزة للدخول في عالم الهندسة الوراثية: (من فترة الخمسينات وحتى نهاية الستينات):

مقدمة الفصل:

يشمل الفصل «ست جولات» ... تبدأ بالدراسات العديدة التي قام بها

الباحثون.. «روزاليد فرانكلين» والعالمان «واطسون وكريك» والتي انتهت باكتشاف نموذج الدنا الوراثي (DNA): وتعرفا على تركيب تلك المادة الوراثية لذلك أطلقت على تلك الجولة (لقد اكتشفنا سر الحياة؟!)- {والجدير بالذكر أنه قد أعلن في شهر أغسطس من عام ٢٠٠٤م عن وفاة العالم فرانسيس كريك} .. ومنتقل بك عزيزي القارئ لجولة أخرى بالفعل تتناول التوصل للعدد الحقيقي للكروموسومات.. ومنها لجولة ثالثة عن اهتمام الحكومة الفرنسية بالبيولوجيا الجزيئية والذي ظهر في بداية الخمسينيات وإلى أى مدى وصل الآن.

وتتناول الجولة الرابعة حلولا تم التوصل إليها لعدة مشاكل مثل: مشكلة الشفرة والقيام بفكها، وفك جزيء الدنا، واكتشاف مسببات لتلف الدنا. وعن أول محاولة تمت لدمج خلايا حية في عام ١٩٦٠م وتهجين الخلايا الجسدية وغيرها من الجهود المبذولة لخرطنة جين بشري.. تقود لمشروع الجينوم.. تمضى جولتنا الخامسة بينها جميعا ثم نتناول في جولتنا السادسة الحديث عن اكتشاف إنزيمات التحديد والبتير وإنزيم الليجيز وأمثلة متعددة لاستخدامهما.
ومع الجولة الأولى.. نبدأ اللقاء.. فمعنا..

الجولة الأولى: «لقد اكتشفنا سر الحياة» ١١٩

كانت هناك العديد من الدراسات على المادة الوراثية وتذكر منها:

١- في عام ١٨٦٩، استطاع العالم البيوكيميائي السويسري، فردريش ميشر، أن يعزل من نواة الخلية مادة كيميائية كانت جديدة على العلم، ولما لم تكن لديه أية فكرة عن أهميتها، لم يتابع اكتشافه حتى النهاية، فظلت هذه المادة منسية جنباً إلى جنب مع كثير من الاكتشافات المهمة بانتظار من يبط اللثام عنها.

٢- في أوائل الأربعينات أشرف العالم «إزوالد آيفري» على سلسلة تجارب مهمة أجريت في معهد روكفلر.. ودفعت نتائج هذه التجارب بالعلماء إلى الاقتناع بأن العامل المؤثر بين العناصر المكونة للحمية - المسئولة عن انتقال الصفات المتوارثة من الآباء للأبناء؛ لم تكن من البروتينات (كما كان يُعتقد) .. ولكن من الأحماض النووية، وتمكّن العلماء من تعريف الدنا كحامل للمعلومات الجينية عام ١٩٤٤م.

٣- ظهور علم البيولوجيا الجزيئية في أوائل الخمسينيات والذي اكتسح عالم البيولوجيا كالعاصفة.. ووفّر للبيولوجيا، بصورة خاصة، أسلوباً جديداً للبحث والتنقيب والتفسير حيث انجذبت أنظار الباحثين واهتماماتهم لاكتشاف ومعرفة البنية الجزيئية التي تفسر آلية الوراثة .. وبظهور البيولوجيا الجزيئية باتت الإمكانيات اللازمة لذلك بمتناول العلماء.

٤- ثم تبرز لدينا دراسات هامة بدأها فريق من العلماء وكان يرأسهم البيوفيزيائي البريطاني «موريس ولكنز Wilkins» وكان هذا الفريق يؤمن بأن سر الحياة لا بد أن يشكّل نوعاً من القدرة على الاستنساخ أو نقل الذات، وتتسم الجينة بهذه الصفة بل و«الدنا» تحديداً واستخدام الفريق التصوير البللوري بالأشعة السينية على الدنا الوراثي، وتعتمد تصوير البلورات من زوايا عدة، بواسطة الأشعة السينية، لجعل هذه البلورات ترمي طيقاً من الأشعة على صفيحة فوتوغرافية كاشفة بذلك بنيتها الهندسية وترتيباتها الداخلية، وأشارت إلى أنه يوجد في سلسلة شعرية متعددة دقيقة التنظيم قطرها حوالي ٢٢ أنجستروم تتميز بوجود مجموعات

تباعده عن بعضها على طول الشعرة بحوالى ٤, ٣ أنجستروم وبوحدة تتكرر كل ٣٤ أنجستروم.

وعلى الرغم من أن «ولكنز» توصل إلى الاستنتاج بأن «الدنا» يشبه حبلًا مجدولاً، فقد فشل تصويره في أن يقدم أجوبة عن كثير من الأسئلة وأبرزها الطريقة التي تنسخ فيها «الدنا» نفسها ناقلة بذلك تعليمات الوراثة من خلية إلى أخرى، وتمت هذه الخطوة على يد عالين مغمورين.

هما في نظر الكثيرين كانا غير مؤهلين بما فيه الكفاية لمثل هذا الكشف الكبير.. هما واطسون وكريك.

ولا يفوتنا قبل الحديث عن العالمين (واطسون وكريك) أن نلفت نظر عزيزنا القارئ إلى «عالمة» من كامبريدج وهي [روزاليندا فرانكلين Franklin] والتي كانت قد توصلت إلى النتائج نفسها. [التي توصل إليها واطسون وكريك وستشير إليها بعد قليل].

وكان ذلك نتيجة لجهودها الشخصية، وأبحاثها المستقلة وهي التي وفرت الدليل الذي مكّن كريك وواطسون من أن يتوصلا إلى استنتاجهما... فالقدرة التقنية التي وفرتها (روزاليندا) للعلماء للحصول على صور أشعة لبلورات الجزيء الرطب الدقيق والسريع العطب [الدنا الوراثي] هي التي مكّنت العالم من الوصول إلى نظريتهم... لكنها تخلت للأسف عن بحوثها بعد إعلان واطسون وكريك نتائج أعمالها، واتجهت لإنجاز مشروع آخر وهو تحليل فيروس التبع... وتوفيت وهي لا زالت شابة بعد إصابتها بالسرطان.

٦- أيضاً لا يفوتنا الإشارة إلى جهود عالم كبير هو «لينوس بولينغ» والذي كان من أشهر كيميائي عصره والذي تحدث عن ذلك الحبل المغرق في الطول والبالغ التعقيد لكن (بولينغ) فشل في استكمال الرؤية والتوصل لنتائج واطسون وكريك.

٧- العالمان واطسون وكريك Watson and Crick واكتشافهما تركيب المادة الوراثية.

استرعت نتائج الأبحاث السابقة اهتمام باحث أمريكي شاب تخرج للتو وهو

«جيمس واطسون» وكان يبلغ من العمر ٢٥ عاماً فقرر اقتحام هذا المجال والذهاب إلى بريطانيا... خطا عالم بريطاني «فرانسيس كريك» خطوة مشابهة... كان واطسون ضعيفاً في الكيمياء والتصوير البللوري والرياضيات أما «كريك» فلقد كان شيئاً عبقرياً مغروراً وقليل الكلام وعمل في زرع الألبان المائبة للحكومة البريطانية خلال الحرب العالمية الثانية وبعد انتهاء الحرب أصبح مهتماً كثيراً بالترقية بين «الأحياء والأموات» وقرر أن يكرس حياته في دراسة علوم الأحياء والكيمياء وإجراء التجارب العلمية العملية.. لكن لم تكن له أعمال بارزة يُعرف بها شخص مجهول للمجتمع العلمي} وكان يتابع دراسته للحصول على درجة الدكتوراه في سن الـ ٣٥ عاماً ولكنه رغم ذلك كان جاهلاً بمسائل الجينات!!

وتمكن هذان الباحثان عندما اجتماعاً وعملاً معاً في معمل «كافيندش» الصغير في رحاب جامعة كامبريدج من الاستفادة من أعمال «بولينغ» أدركا أن الجبل المغرق في الطول والبالغ التعقيد لجزء الدنيا يوحى بأن الجزئية يتخذ شكلاً حلزونياً، واستفاداً بما توجيه الصور البللورية للدنا الوراثي والتي التقطها «ولكنز» في عمل نموذج حول شكل وتركيب الدنا الوراثي.. وهكذا دون جهود شخصية في البحث والتنقيب، وحتى دون استئذان.. عكف خلال عامين من العمل المشترك على تحليل أبحاث الآخرين وأعمالهم وتوصلاً بما حباهما به الله من قدرة على التحليل وخيال خصب.. إلى رؤية ما فشل فيه الآخرون - رغم جهودهم المضنية - في رؤيته .

ظل العالمان يُجريان محاولتهما حتى جاء ذلك اليوم وهو ٢٨ - ٢ من سنة ١٩٥٣م - [وفي بعض المراجع أنه شهر مارس] وهو اليوم الذي أتما فيه إنجازهما وتمكنا من صنع نموذج يمثل تركيب الدنا الوراثي.. ساعتهما أسرع «فرانسيس كريك» إلى بار «إيجل» وهي الحانة المجاورة للجامعة ناقلًا إلى جمهور العلماء الذين كانوا يحتسون الشراب في أوقات الفراغ وأطلق عبارته المشهورة مفاخرًا «لقد اكتشفنا سر الحياة» - [بصرف النظر عن مدى دقة هذه العبارة والتي بها شيء من الصحة]؛ فلقد كانت تعبر عن تلك الفرحة الطاغية التي أحس بها الإنجليزي «فرانسيس كريك» والذي كان يبلغ من العمر حوالي ٣٥ سنة» ومعه زميله الأمريكي «جيمس واطسون»

نتيجة اكتشافهم لتركيب المادة الوراثية فى نواة الخلية بالإنسان «الدنا الوراثى» وطريقة عملها حيث فصلوا التركيب الجزيئى ثلاثى الأبعاد «الدنا» وأثبتوا أن الجينات «المادة الوراثية بالنواة» تتكون أساساً من الحمض النووى الديوكسى ريبوز؛ وهو لا يشبه جبلاً مجدولاً واحداً، بل يشبه جبلين اثنين مجدولين، وهذان الجبلان لولبيان مما يجعلهما أشبه بسلم لولبى مزدوج وهذا اللولب المزدوج (الحلزونى) يلاحظ أن جديليتيه قابلتان للانفصال على غرار السحاب وهما أيضاً فى تواز مضاد... وكل جبل منفرد (جديلة) أو نصف سلم يُشكل أساساً لإعادة تكوين جزيئين جديدين للدنا وكل جزيء جديد ينقسم بدوره وبالصورة ذاتها مرة بعد المرة، ومع كل انقسام خلوى فإنه ينقل تعليمات الوراثة (الصفات الوراثية) وتتضمنه الجينات من معلومات من خلية إلى أخرى.

ويحتوى الحامض النووى على شفرة مكتوبة بطول درجات سلم أنيق متشابك - (وهذه السلالم هى مسافات دورية تصل بين جديلتى الدنا وكل سلم يتألف من واحد من زوجين من القواعد {أ، ث، ج، س}، ويمكن لهذا اللولب المزدوج أن يطول إلى ما لا نهاية. وهذه الشفرة تنسخ نفسها بواسطة انجذابات كيميائية بين حروفها، وتعتبر عن وصفات للبروتينات بواسطة قاموس للعبارات ما زال غير معروف «وقتها» - وهو يربط الدنا بالبروتين - ثم تبنى للعلماء فيما بعد أن القواعد الأربعة (هى أدينين (أ)، ثايمين (ث)، سيتوزين (س) وجوانين (ج) وهى التى تتشكل منها أبجدية الشفرة الوراثية)، والجين هو تتابع نوعى من هذه القواعد الأربعة.

إضافة إلى ذلك. رأى العلمان «واطسون وكريك» أن المعلومات التى تنقل إلى البروتينات، حاملة الأوامر لبناء الحياة؛ لا تستطيع أن تخرج منها، وبالتالي فإنه من غير الممكن تعديل المعلومات. وأطلق كريك على هذا التصور اسم «الدوجما المركزية» أى العقيدة المركزية التى هى بمصاف العقائد اللاهوتية التى لا تحتل التأويل لآلاف السنين - لكن تجدر الإشارة إلى أنه تم اكتشاف الكثير مما كان يجهله الباحثون فى هذا الوقت وعارض نظرية الدوجما المركزية وسيكون لنا لقاء معه بالكتاب.

وتجدر الإشارة إلى أن النظرية الجديدة للدنا والتي أعلنها واطسون وكريك؛ قد حظيت بالقبول العام في العالم البيولوجي واكتسبت تأييداً واسعاً.. وفقرت إلى أبعاد من حدود العلم لتصل إلى أجهزة، وتمت المقابلات مع واطسون وكريك في كل مكان وكتبت عنهما الصحف والمجلات وتحدثت عنهما البرامج التليفزيونية. وفي عام ١٩٦٢م مُنحت جائزة نوبل لسبعة أشخاص لبحوثهم في البيولوجيا الجزيئية من بينهم واطسون وكريك وموريس ولكنز.. أما روزاليندا فكانت قد توفيت ولم يتح لها أن تلتقى التكريم الذي تستحقه جهودها. ولقد أصدر واطسون كتاباً بعنوان «اللولب المزدوج The Double Helix» في عام ١٩٦٨م.

وبحضرنا هنا مقولة العالم ريتشارد دوكنز عن هذا الحدث «إن ما هو ثوري حقاً في البيولوجيا الجزيئية في عصر ما بعد واطسون - كريك هو أنها أصبحت رقمية... فشفرة ماكينات الجينات تشابه الكمبيوتر على نحو خارق».

مقولة العالم «ريتشارد دوكنز» وتخليق بالجملة من الخمسينات للقرن الحادي والعشرين.. مع جهود لإنتاج كائنات حية دقيقة مُبرمجة «رقمية» فعلاً - صدقت مقولة هذا العالم.

ولتسمح لنا «عزيزنا القاري» أن نترك فترة الخمسينات لبعض الوقت ونحلق بك تخليقاً مفاجئاً في سماء القرن الواحد والعشرين حيث سنجد ما يؤكد مدى صدق تعبيره في قوله «... أنها أصبحت رقمية فشفرة ماكينات الجينات تشابه الكمبيوتر على نحو خارق»... إذ ستشاهد ما يلي:

عندما تصبح البكتيريا... مُبرمجة «رقمية» في المستقبل!! - فالخطوة المستقبلية والتي تُعد لها العدة منذ فترة - هي إنتاج «كائنات حية رقمية».. بمعنى إنتاج نوعية خاصة تتكون من جيش من الكائنات الحية الدقيقة.. يقوم الباحثون بتحميل أو ازدراع "implanting" برامج كمبيوتر حديثة بها بما يُمكن هذه الكائنات من أن تتحرك بشكل مُبرمج خاص لتؤدي وظائف مُحددة كأن تتحرك في شرايين الإنسان (مُراقبة تركيزات السكر في الدم ومتابعة أي زيادة في نسبة الكوليسترول cholesterol بالدم).

ويتم تحميل أو ازدراع برامج الكمبيوتر هذه بالكائنات الحية الدقيقة.
وتتم عملية تحميل أو ازدراع برامج الكمبيوتر الحديثة بهذه الكائنات الحية «عن طريق توصيل برامج كمبيوترية إلى الحامض الوراثي الدنا DNA الخاص بها؛ حيث يمكن في النهاية إنتاج «كائنات» applets جينية، أو برامج كمبيوترية دقيقة يمكن تحميلها في كائن حي واحد، وذلك بتثيit «دنا» به نفس الطريقة التي تحمل بها تطبيقات «جافا» من الإنترنت. والعلماء بذلك يحاولون تطويع الأنشطة المتعددة للكائنات الحية الدقيقة والتي تتجاوز حدود قدرة الأجهزة السليكونية.
مع أوجه الشبه بين عمل الدوائر الرقمية بالكمبيوتر وعمل الدنا البكتيري:

تعمل الدوائر الرقمية - (وهي وحدات البناء الأساسية في الكمبيوترات الحديثة على تشفير المعلومات إلى أرقام ثنائية «صفر»، و «واحد»)، ثم تعالجها بطريقة دقيقة ومتحكم فيها تماماً وبالنسبة للكائنات الدقيقة كـ «البكتيريا» فإننا نجد أنها تتكون أساساً من جزيئات عضوية وبروتينات وأثناء قيام البكتيريا بتنظيم أنشطتها وتفاعلاتها مع البيئة المحيطة بها، فإنها تستخدم العديد من الأساليب، تشبه إلى حد كبير ما تقوم به الدوائر الرقمية في الكمبيوتر مثل مفاتيح الوصل والفصل وحلقات Loops التغذية المرتدة «الحلقة» مجموعة من الأوامر يتكرر تنفيذها مع تتابع حلقي حتى يتحقق شرط معين». وأكثر من هذا فإن البكتيريا تشتمل على واحدة من أكثر منظومات معالجة البيانات المعروفة «ثراء» إذ أن جدائل «الدنا» الخاصة بها، تشتمل على تعليمات تفصيلية لكيفية وتوقيت بناء نوع واحد من آلاف الأنواع من البروتينات ويعمل مركز تحكم في كل حين على تشغيلها أو إيقافها تبعاً للاحتياجات المتغيرة للبكتيريا.

وكما يوصل المهندسون الكهربائيون الترانزستورات معاً، ومفاتيح التشغيل والإيقاف المصنوعة من رقائق السليكون، فإن الباحثين يكونون في نفس الحاضر دوائر جينية genetic Circuits يقوم فيها البروتين الناتج من إحدى الجينات، بتنظيم عمل الجين التالي لها. وتنفذ الدوائر السليكونية silicon circuits «مجموعة من العناصر الكهربائية تُوصَلُ بنظام معين لتحقيق وظيفة محددة، عند مرور التيار

الكهربائي بها» عمليات معقدة، باستخدام حقنة من المكونات البسيطة التي يطلق عليها البوابات المنطقية logic gates «دائرة إلكترونية يتحدد مخرجها بدالة منطقية محددة بين مدخلاتها ومن أمثلتها بوابة «و» and وبوابة «أو» or. وينشئ في الوقت الحاضر مهندسو الدوائر الجينية نفس هذه الأدوات داخل الكائنات الحية الدقيقة (البكتيريا).

إحدى تلك البوابات المنطقية هي العاكسة «بوابة منطقية خرجها عكس دخلها» التي تخرج (١) إذا كان دخلها (صفر)، وتخرج (صفر) إذا كان دخلها (١) وبوابة منطقية أخرى هي بوابة «و» و And التي تستقبل دخلين في نفس الوقت، ويكون خرجها (١) فقط في حالة ما إذا كان كل من دخلها (١)، والأمر العجيب أنه على الرغم من بساطة تلك البوابتين، فإن علماء الرياضيات يمكنهم تصميم أى عملية منطقية، بتوصيل العدد الكافي منها ببعضها البعض.

عودة لفترة الخمسينات والستينات مرة أخرى

نعود عزيزي القارئ لفترة الخمسينات مرة أخرى لنستكمل بعض أحداثها الهامة، ونذكر أنه نتيجة قبول الجميع لما أنجزه العالمان «واطسون وكريك» في العالم البيولوجي فلقد تبع ذلك الإنجاز انطلاق الباحثين في تجاربهم وأبحاثهم لكشف المزيد، ونذكر هنا ما قام به العالم «آرثر كورنبرج» - فماذا فعل؟
«كورنبرج» وتكوين جزيء «دنا» صناعي:

تمكّن العالم «آرثر كورنبرج» وآخرون في عام ١٩٥٧م في جامعة ستانفورد أو هناك مراجع تذكر أن العام هو ١٩٦٧م من عزل إنزيم بلمرة من بكتيريا إ. كولاى أو هو إنزيم لديه القدرة على تجميع النوتيدات في سلاسل الدنا، ثم قاموا بإجراء تجارب لتصنيع الدنا فى الأنابيب بالمعمل باستعمال هذا الإنزيم مع الأربعة من النوتيدات الدايوكسى ريبوزية وفى وجود هيكل أو قالب سابق التصنيع من الدنا وتوافر عناصر أخرى .. وبالفعل استطاع تكوين جزيء «دنا» اصطناعي مؤلف من جديدة واحدة... وقام هذا الجزيء بنسخ نفسه. ولقد وجد الباحثون عند قياسهم

لكمية الدنا، أن كمية الدنا أصبحت ٢٠-٣٠ مثل الكمية الأصلية التي دخلت في التفاعل. ولقد كان لهذا الدنا نفس الخواص الطبيعية والكيميائية للدنا الطبيعي ولذلك استحق «كورنبرج» جائزة نوبل عام ١٩٥٩م.

أيضاً في عام ١٩٦١م اكتشف "Marmur Doty" إمكانية انفصال جزيء الدنا المزدوج إلى خيطين منفردين ثم قابليتهما للارتباط مرة أخرى وهي أساس التهجين». وجدير بالذكر أن الحرية يُقدمها تركيب الدنا الوراثي بالنسبة للتعليمات الوراثية؛ حرية واقرة لحد يكاد يفوق الخيال؛ فليس ثمة قانون فيزيقي أو كيمائوي يقرر تنابع القواعد.. فعلى الرغم من أن البعد بينهما ليس سوى ٤, ٣ أنجستروم، فإن الدنا النموذجي بخلية الحيوان الثديي يزيد طوله على مترين - لدى الإنسان نجد أن سلم «الدنا» الموجود في خلية واحدة قد يصل طوله إذا ما وصلت أطرافه، بعضها ببعض الآخر، ثلاثة أقدام أو ٩١, ٥ سم، ويحتوي على ستة آلاف مليون درجة - ورغم ذلك فإن القيود في نفس الوقت صارمة وتكاد تكون مُطلقة فنيما بين الجديلتين - إذا بُتَّ التنابع في إحدهما، فإن اقتران القواعد (أ مع ث، ج مع س) يحدد تماماً التنابع الكامل على الجديلة المقابلة: نجد هنا توحد الشكل مع الوظيفة وبالتالي فهذا النموذج يوجد وجهي الوراثة فيفسر انتقال الصفات وتعبيرها. وإذا افتقرت الجديلتان، فإن في إمكان كلٍّ - أن تجمع وحدها نسخة من رفيقتها السابقة المكملة لها، فيتيج لولبان مزدوجان متطابقان أثناء انقسام الخلية، فيكون هذا هو تضاعف الجينات .

من ناحية المبدأ أصبح بمقدورهم أن يفكروا في تحليل نمو وعمل الكائنات تحليلاً يتجه من الداخل إلى الخارج - أي في تواز مع العمليات الطبيعية للكائن (ومثال لها تجارب كورنبرج) وذلك في عدة اتجاهات: منها بفحص دنا الكائنات الحية ومحاولة قطع ووصل دنا من كائن في كائن آخر لإظهار صفة لم تكن موجودة - الهندسة الوراثية - ومنها بتعيين هوية التابعات العاملة من القواعد، ثم اكتشاف ما تحده هذه التابعات في الكائن الحي، وبالتالي الدخول إلى إنجاز مشروع هام هو مشروع الجينوم، وفي العلاج الجيني، والاستنساخ والبصمة الوراثية إلخ.

بقي لنا في هذه الجولة أن نُشير إلى وفاة «فرانسيس كريك» في منتصف عام

٢٠٠٤م عن عمر يناهز ٨٨ عاماً ولفظ أنفاسه بمستشفى تورنتون في كاليفورنيا بعد معاناة طويلة مع مرض سرطان القولون.

ويقول عنه «هوريس فريلاندر جودسون» في كتابه «في اليوم الثامن للخلقة» ، إن كريك نسق بذكائه وإدراكه وقوة شخصيته ورقية الفكرى ونشاطه الدائم وبكثرة اطلاعه وتحرير الرسائل بلا انقطاع بحوث العديد من علماء البيولوجيا الآخرين وشرح نتائجها.

وأيضاً نذكر ... أنه على الرغم من الاستفادة الكبيرة التي عادت على العالم بأسره من وراء اكتشافات الحامض النووى فى مجالات الطب والهندسة الوراثية والاستنساخ والعلاج الجينى والعديد من المجالات الأخرى المختلفة - إلا أن الهدف الأساسى الذى شغل بال كل من «واطسون وكرىك» كان مختلفاً تماماً... !!

فمن الناحية الظاهرية، كان المشروع المحدد أمامهما هو حل شفرة التركيب الجزيئى للحامض النووى DNA، ولكن فى الواقع - كان هدفهما الحقيقى من وراء هذه التجارب هو إنكار الدين وتكذيب الحقائق التى وردت فى كافة الكتب السماوية عن الوحدانية. وهذا بالفعل ما اعترف به واطسون فى كتابه فبصفتها ملحدين (أى منكرين لوجود الله) فكان شغلهم الشاغل اكتشاف الأسرار الحقيقية للمادة لإثبات أنه لا يوجد كائن فوق الوجود المادى، أى لا يوجد إله... ﴿سبحانه وتعالى عما يصفون﴾ .

الجولة الثانية:

التوصل للعدد الحقيقي للكروموسومات بنواة الخلية البشرية، ومتلازمة داوون

فى عام ١٩٢١م احتز أحد الباحثين ويسمى «ثيوفيلوس بيتتر» من تكساس شرائح رقيقة من خصى رجلين أسودين ورجل أبيض كانوا قد أخذوا لجنونهم ولإساءة استغلال الذات وثبتت الشرائح بالكيمائيات وفحصها تحت الميكروسكوب وتوصل إلى رقم ٢٤ باعتباره عدد الكروموسومات فى الخلايا المنوية، وكرر بعدها آخرون تجربته واتفقوا جميعاً على أن عدد الكروموسومات هو {٢٤} وظل هذا الأمر حتى عام ١٩٥٥م.

وفى عام ١٩٥٦م اشترك الباحثان: «چو - هين - تيو» - «وفى مراجع أخرى» «نجيو» - «وهو أندونيسى الأصل رحل من أسبانيا إلى السويد»، و«ألبرت ليفان» واستخدما تنويعاً من بضع تقنيات أفضل من سابقهم مما مكّنهم من رؤية الكروموسومات بوضوح وأثبتا أن الجينوم البشرى يحتوى على ٢٢ زوجاً - لا ٢٣ زوجاً - من الأوتوزومات، وإذا ما أضفنا إليها كروموزومى الجنس أصبح العدد الكلى من الكروموزومات فى الجينوم البشرى هو ٢٣ زوجاً أى ٤٦ كروموسوم، ويعد أن تعزز هذا التأكيد بأبحاث حديثة، عُقد فى إبريل فى «دنفر - كلورادو» مؤتمر للوراثة تم فيه الاتفاق على ترقيم الأوتوزومات (أى الكروموزومات غير كروموزومى الجنس X و Y) حسب تدرج أحجامهما بحيث يعطى الرقم ١ للكروموسوم الأكبر. فى أوائل عام ١٩٥٩ تم الإثبات فى فرنسا وإنجلترا بنفس الوقت تقريباً، أن متلازمة داوون تنشأ عن شذوذ كروموسومى - تملك الشخص لثلاث نسخ من الكروموزوم ١، بدلاً من كروموزومين.

ال الجولة الثالثة :

اهتمام فرنسي مماثل في الخمسينات والى أين وصل فى القرن الحادى والعشرين؟

فكما اشتركت أمريكا بعالمها «جيمس واطسون» وانجلترا بعالمها «فرانسيس كريك» فإن فرنسا أيضاً كان لها دور .. فما هو؟
فى عام ١٩٥٨م أنشأ الرئيس الفرنسى الأسبق شارل ديغول «لجنة البحث العلمى» وتضم ١٢ من كبار العلماء والمفكرين.. وفى أحد الاجتماعات طلب أن يطرح كل منهم خلال خمس دقائق المجال البحثى الذى يرى أنه الأجدر بالتمويل. وبالفعل تم طرح العديد من الموضوعات مثل توليد الطاقة وغزو الفضاء واستغلال المحيطات والبيولوجيا الجزئية وغيرها من مجالات البحث العلمى. ووقع اختيار الجنرال ديغول على «البيولوجيا الجزئية» حيث قال فى كلمته أمام أعضاء اللجنة «... وماذا لو أن تلك البيولوجيا الجزئية المغلفة بالأسرار والتى لا أفهم منها شيئاً ولن أفهمها أبداً، ستكون هى الواعدة بالتطورات الثرية وغير المتوقعة على المدى المتوسط.. ويمكنها أن تسهم فى إيجاد «طب جديد» ليس لدينا عنه أى فكرة؛ وقد يصبح هو طب القرن الحادى والعشرين..!؟».

وفعلاً اختارت اللجنة «البيولوجيا الجزئية» لتحل الأولوية وتكون «الأجدر بالتمويل».

وإذا كان هذا هو ما حدث فى فرنسا فى عام ١٩٥٨م وسوقف الحكومة الإيجابى من البيولوجيا الجزئية مما قد ترتب عليه الكثير والكثير وإليك دليلنا الذى يعبر عما تم من قفزة كبيرة حدثت منذ نهاية الخمسينات وحتى الآن:

تكوين اتحاد علمى لدراسة الجينوم فى فرنسا فى القرن الحادى والعشرين:
حيث تم تكوين اتحاد فرنسى لتقنيات الكمبيوتر فى المجال البيولوجى أطلق عليه اسم (جينوستار) GENO STAR .. الهدف منه تصميم وتطوير أنظمة كمبيوتر لوصف وتحليل جينات الكرموزومات (الجينوم) GENOME والبروتينات،

بالإضافة إلى تحديد العلاقة التي تربط بينهما مما يساهم في توفير أساليب تحليل وإعداد أدوات خاصة لتحديد وظيفة الجينات مع تحديد أهداف جديدة للعلاج. يتكون الاتحاد من معهد باستير، المعهد القومي الفرنسي للأبحاث الخاصة بالكمبيوتر وأنظمة التحكم الأتوماتيكي، وشركتي HYBRIGENICS و GENOME EXPRESS.

وخلال هذا الاتحاد فإن شركة HYBRIGENICS - باستخدام طرق بيولوجية للفرز الأتوماتيكي وتقنيات الكمبيوتر في المجال البيولوجي - لمجت في تصميم خرائط لتفاعل البروتينات.

وبواسطة وحدة مؤتمة بيانية تقوم تلك الخرائط بعرض البروتينات في المسارات البيولوجية الخاصة بها مع تحديد الوظائف في الخلية مما يسمح باكتشاف أهداف جديدة تفيد في الأساليب العلاجية للأمراض المعدية والسرطان.

الجولة الرابعة:

«مع حل مشكلة الشفرة والقيام بفكها، وفك جزيء الدنا، واكتشاف مسببات لتلف الدنا»:

س: بعدما تقدم من كشف للكثير من أسرار المادة الوراثية أصبح ما يشغل ذهن العلماء هو: ترى ما هو التابع الخاص من القواعد الأربعة الذي يحدد بالفعل كل حامض أميني؟

والإجابة: هي أن جهود الباحثين والعلماء المستمرة والمتواصلة أثمرت لنا الكثير من الاكتشافات نذكر منها:

١- طور العالم «فرانسيس كريك»، فرضية ما يسمى الجزئيات الملتزمة (المكيفة) adapter، التي تعمل كمتوسطات، ونشر في عام ١٩٥٦م مجموعة من القواعد التي يمكن لهذه المتوسطات أن تعمل وفقاً لها. وكان كود «كريك» عديم الفواصل commaless : والكودونات تكون عديمة الدلالة من حيث الفعالية، غير مرئية فيما يتعلق بالملتزمات.

٢- في عام ١٩٦١م [في مراجع أخرى تذكر أنه في (صيف ١٩٦٠م)] شهد أول اختراق، حيث قام أو توصل «مارشال نيرنبرج وچوهان مانشاي». (ومراجع أخرى تذكر أن اسمه «هاينزيغ ساتاي» العالمان الشابان بالعهاد القومية للصحة - قاما بأول اختراق، ولقد تم فك شفرة «كلمة» من كلمات الشفرة الوراثية، بوسيلة بسيطة هي صنع جديلة اصطناعية من الرنا كل قواعدها من صنف واحد فقط بمعنى (صنع قطعة رنا باستخدام يوراسيل نقى ورمزه «ي» - المكافئ لحرف «ث» في دنا)، وضعا هذه الجديلة كمرسال في محلول مجهز بالأحماض الأمينية، وبالريبوزومات والمواد الكيماوية البيولوجية وغيرها من المكونات الخلوية اللازمة، وتمكنت الريبوسومات من صنع سلسلة بروتينية بأن خاطت معاً العديد من جزئيات (أحماض أمينية) - من صنف واحد لا أكثر هي جزئيات الحمض الأميني فينيل آلانين، وبالتالي أمكن اختراق سر أول كلمة في الشفرة: ذلك أن «ي ي ي» تعني «فينيل آلانين».

وعلى مدى السنين الست التالية، بيّنت تتابعات الرسائل الاصطناعى الطريق لتحديد القاموس الكامل للشفرة الوراثية.

وبحلول عام ١٩٦٥م أصبحت الشفرة كلها معروفة - وتذكر مراجع أخرى أنه قد تم هذا الإنجاز فى عام ١٩٦٦م وليس عام ١٩٦٥م عن تمكن الثلاثة: «Kharana» و «أوكو Ocho» و «نيرنبرج Nirenberg» من فك الشفرة الوراثية (ويبدو أنه استكمال لما حدث عام ١٩٦١م حتى تم على أيديهم تحديد القاموس الكامل للشفرة الوراثية) ولقد بدأ العصر الحديث للوراثيات بهذا الإنجاز، وأصبحت إنجازات النجاح الرائدة فى الستينات بمرور الوقت عمليات روتينية فى التسعينات.

مثال:

يُحدّدُ الحمضُ الأمينى بثلاث من القواعد فى ترتيب معين على طول جديلة الحمض النووى، ويسمى هذا الثلاثى باسم «كودون». فعلى سبيل المثال فإن القواعد الثلاث: ثايمين - سيتوزين - جوانين (س س ج) تُشفّر إلى الحامض الأميى {برولين} بينما تُترجم نفس هذه القواعد بالترتيب العكسى (ج س س) على الرنا المرسال وتدفع الريبوزوم إلى إضافة الحامض الأمينى {الالانين}. وللشفرة الوراثية ٦٤ كودونا (أى من القواعد الأربع فى الموقع الأول، وفى الثانى، وفى الثالث) والكثير من الحشو. ثمة ثلاثية من الكودونات لا تُحدد أى حامض أميى، وإنما تستخدم كإشارات توقف، تُفيد نهاية السلسلة (وقد تظهر لها أهمية أكثر من هذا فى المستقبل).

والجدير بالذكر أن الحموض الأمينية العشرين تختلف من حمض لآخر بجميع أنواع الخصائص: من الحجم إلى الشكل إلى الشحنة الكهربائية.

جولة خاطفة:

للقرن الحادى والعشرين واكتشاف خطأ الاعتقاد بأن الشفرة شمولية Universal بنسبة ١٠٠٪.

كان الاعتقاد السائد بين العلماء لفترة طويلة هو أن الشفرة الوراثية شمولية Universal بمعنى أنها تتماثل فى الكائنات المميزة وغير المميزة النوى ... فشفرة

ثلاثة ما تقوم بتخليق نفس الحمض الأميني في مدى واسع من الكائنات الحية ولذا فإننا نجد (حسب الاعتقاد السابق) أن التسابع النوتيدى فى كودون ما والذي يوجه حمضاً أمينياً معيناً كبروتين البكتيريوفاج هو نفس التسابع النوتيدى الذى يوجه ذات الحمض الأميني فى بروتين الإنسان.

لكن الدراسات والأبحاث الحديثة أوضحت أن هناك على الأقل ستة عشر كائناً حياً من صنيف متنوع لسلاسل (تطورية) مختلفة، تنحرف عن كود الطبيعة المعيارى (أى عن مبدأ شمولية الشفرة)؛ فيما يتعلق بمعانى الحموض الأمينية التى تعينها ... بمعنى أن العلماء يدركون الآن أنه يوجد على الأقل «١٦» تفاوتاً موزعاً عبر صنيف array متنوع من السلاسل التطورية، تُعين فيها معانٍ مختلف لـكودونات محددة .. ولكن النظام الأساسى واحد: تُترجم الكودونات الثلاثة التكويديات إلى حموض أمينية.

أمثلة:

- ١- تُترجم أنواع كثيرة من الطحلب الأخضر *Acetabularia* الكودونين المعيارين لإنهاء الانتساخ "UAG" و "UAA" إلى الحمض الأميني كلسين.
- ٢- فى معظم الكائنات الحية تقرأ الكودون "CUG" فى الرنا ليعنى الحمض الأميني (لوسين) - (أى أن كودون الرنا: "CUG" يعنى معيارياً الحمض الأميني لوسين)؛ إلا أنه اكتُشف أن أنواعاً كثيرة من فطور المبيضات {فطر الكانديدا *Candida*} تُترجم كودون الرنا نفسه (CUG) إلى الحمض الأميني (سيرين).
- ٣- أيضاً نجد أنه بالإضافة إلى أن للميتوكوندريات جينومها الخاص .. فإنه لها نظام كودونى خاص بها فمثلاً: يكود الحمض الأميني {تريونين} فى جينوم ميتوكوندريات خميرة الخبازين (الفطرية السكرية الجموية) بأربعة كودونات من أصل ستة تكود فى الحالة السوية فى بقية الكائنات الحية الحمض الأميني (لوسين).
- ٤- صار من المؤلف أن تُؤخذ الجينة موضع اهتمام الباحثين ... كجينة من جينات السرطان البشرى مثلاً وتغرز فى كائن حى ما - مثل بكتيريا الإشيريشيا *E. coli* - حيث يتم تركيب واستخلاص البروتين الذى تكوده الجينة ولكن

قد يحدث أن يخفق الكائن الحى كلياً فى التعبير عن الجينة، أو أنه ينتج كمية من البروتين أقل مما هو متوقع، أو حتى نسخة مغايرة بعض الشيء للبروتين الذى تنتجه الجينة فى الإنسان ومع أن هذه المشكلة قد تسبب فوضى شديدة فى الأبحاث البيولوجية. إلا أن الباحثين الآن يدركون أن الإخفاق إنما ينشأ أحياناً لأن الكائن الحى يبدى أفضليات مختلفة فيما يتعلق بالكودونات المترادفة. فمثلاً، يشتمل الكود المعيارى على ستة كودونات للحمض الأمينى أرجينين arginine، وتترجح الجينات البشرية إلى محابة الكودونين AGA و AGG. بيد أن بكتيريا Ecoli لا تستعمل إلا فى حالات نادرة جداً الكودون AGA، حتى أنها غالباً ما تخطئ فى ترجمته. إن المعرفة لهذه الاختلافات ولهذه الأفضليات ستمكن من تصميم نسخ محورة عن الجينة البشرية لابد أن تعمل واحدة منها بثوقية لدى نقلها من كائن حى إلى آخر.

إن هناك أسئلة كثيرة تدور الآن بين الباحثين يبحثون لها عن إجابة منها: لماذا يوجد عشرون حمضاً أمينياً معيارياً فقط؟ لماذا عين لبعض الحموض الأمينية ستة كودونات، فى حين عين لحموض أمينية أخرى كودون واحد أو كودونان؟ هل لهذا الطراز علاقة ما بتخفيض الأخطاء إلى الحد الأدنى؟ لقد ثبت أن حل الكود لم يشكل سوى بداية فهم معناه:

سبحان الله ﴿وَمَا أُوتِيتُمْ مِنَ الْعِلْمِ إِلَّا قَلِيلاً﴾ (الإسراء ٨٥)

اكتشاف مسببات لتلف الدنا:

كانت للعالم «دروس آمس» فى كاليفورنيا فى ستينات القرن العشرين العديد من الأبحاث، والتي نذكر من نتائجها أنه قد توصل إلى أن الكثير من الكيماويات والإشعاعات التى تسبب السرطان، مثل قار الفحم وأشعة إكس، فيها صفة مشتركة واحدة خطيرة، فهى تتلف شريط الدنا الوراثى تلفاً شديداً. وهكذا الملح (أمس) إلى الاحتمال بأن يكون السرطان مرضاً جينياً.

الجولة الخامسة:

التهجين الخلوي الجسدى Somatic hybridization وأول خطوة لخرطنة جين بشري... تؤدي إلى مشروع الجينوم:
أولاً: تمهيد:

تقنية التهجين الخلوي الخضري Vegetative Hybridization أو (التهجين الخلوي الجسدى):

يعتمد على تقنية الاندماج الخلوي Cell Fusion، وهي عبارة عن اتحاد خليتين باستخدام وسيلة مناسبة مثل: المواد الكيميائية Chemofusion أو التيار الكهربائي Electrofusion أو شعاع الليزر Laser microbeam ثم انتخاب الخلايا المتحدة المرغوبة.

ثانياً: إلقاء الضوء على بعض الجهود التي تمت في هذا المجال:

١- ويذكر أن أول محاولة لدمج خلايا تمت سنة ١٩٦٠م في معهد (جوستاف) في باريس، حيث تمت تحت إشراف البروفيسور (جورج بارسكي) وتم بها دمج خلايا فئران في أطباق خاصة مزودة بغذاء معقم فكانت النتيجة هي التحام الخلايا واختلاطها مع بعضها البعض لتصبح خلية واحدة، ورغم أن الحادث كان جديداً، فإنه لم يكن مقنعاً!!

٢- وفي عام ١٩٦٧م اتخذ كل من «ماري وايس M.Weiss ود. هوارد جرين H.Green» من جامعة نيويورك أول خطوة حاسمة نحو خرطنة جين بشري، عندما نشرا تقنية لدمج (أو تهجين) خلايا بشرية بخلايا فأر وذلك في مستنبت واحد بالمعمل مع توفيرهم لكافة الظروف المناسبة لحدوث الإنماء لتنتج خلايا تحمل جينومي الإنسان والفأر معاً، يمكنها أن تنقسم وتتكاثر في المستنبت بالمعمل، فيما سُمي «بتهجين الخلايا الجسدية». وأعيدت التجربة مرة أخرى على يد مجموعة من العلماء ولاحظوا أنها تفقد بالتدريج بعض الكروموسومات البشرية - لا الفأرية - أي أن خلية الفأر أو البرنامج الوراثي للفأر أكل البرنامج الوراثي للإنسان - أو بمعنى آخر

«طرده» بعد أن اتحدت الخليتان، وتم ذلك تحت دهشة العلماء ومخاوفهم. ورجح البعض أن السبب في ذلك يرجع إلى أن «انقسام كروموزومات الفئران المسجل عليها البرنامج الوراثي كان أسرع، والسريع يغلب البطيء، ولهذا أخذت كروموسومات الفئران زمام المبادرة من كروموسومات الإنسان... ولذا نلاحظ مع توالي انقسام هذه الخلايا الهجينة أن تفقد بالتدرج بعض الكروموسومات البشرية لا الفأرية، ويمكننا بذلك أن ننمى خلايا هجينة تحمل كروموزومات الفأر بالإضافة إلى كروموزوم بشري بعينه. (وهو ما حدث).

٤- أيضاً ذكر أنه عند إضافة فيروس من فيروسات أورام الثدييات اسمه «فيروس سينداي» إلى مستنبت يحوى خلايا بشرية وفأرية، يلتصق الجسيم منه ببضع خلايا ولما كان حجمه أصغر بكثير من الخلايا فإنه يربطها بالضرورة ربطاً محكماً، وتمكن أجربين ووايس من البرهنة على أنه من الممكن تليين جزئى الخلايا باستخدام مواد كيميائية معينة، فتندمج معاً يعيش البعض من هذه الهجن الخلوية ويتضاعف في المستنبت، وعلى الرغم من أن هذه الهجن تميل مع تكرار الانقسام إلى التخلص من الكروموزومات البشرية - كما سبق وذكرنا - فمن الممكن ترسيخ خطوط تكاثر جينوم الفأر - بكروموزوماته العشرين.

٥- وأمكن الاستفادة من هذا التكنيك في استنباط خطوط (lines) من هذه الخلايا الهجين؛ بحيث تحمل كروموزومات الفأر وكروموسوم بشري واحد بعينه أو قطعة معينة من كروموسوم محدد - ويمكن التأكد من حدوث ذلك ومعرفة الكروموسوم بنمط الشرائط الموجودة عليه واستخدام الميكروسكوب لفحص هذه الخلايا - ومن الممكن فحص النواتج البيولوجية لهذا الكروموسوم أو المقطع منه لمعرفة إن كان يحمل شيئاً ما.

٣- ولقد تمكن الباحثون بواسطة هذا التكنيك من نسب جينات بشرية إلى كروموسومات بعينها بل وحتى إلى مناطق أو شرائط محددة بعينها، من كروموسوم بذاته، وذلك بفحص البروتينات البشرية التي تنتجها الخلايا الهجين، ولقد أثمر ذلك معرفة الكثير منها.

٦- وفي ضوء كل ما تقدم من ملاحظات ونتائج؛ استفاد منها الباحثان «هوارد جرين ومارى وايس» وأثمرت جهودهما عن الإعلان عن تحديدهما لأول جين يُنسب إلى كروموسوم أوتوزومى بعينه كان ذلك عام ١٩٦٨م، وتم تحديد مكان هذا الجين على (الكروموسوم ١٧) وتم ذلك عندما وجدوا الخلايا الهجينة المحضرة بتلك التقنية تنتج إنزيم الثايميدين كابينز Thymidene Kinase وهو إنزيم بشرى .. ومن خلال ملاحظة هذا الجين تم على الفور استنتاج أن الجين البشرى الخاص بهذه الصفة يقع على الكروموسوم البشرى هذا - أو الجزء منه - الباقى بالخلايا الهجينة المحضرة.

٧- والجدير بالذكر؛ أن التجارب والأبحاث السابقة كانت بمثابة الضوء الأخضر الذى فتح الباب على مصراعيه لحسن الاستفادة من هذه التقنية، وأثمرت عن نتائج هامة نذكر منها إنتاج فئران هجينة مبرمجة لإنتاج أجسام مضادة نقية.

٨- وفي عام ١٩٦٩م أعلن «سينسهايمر» عالم البيولوجيا الجزيئية البارز أن البيولوجيا الجزيئية قد فتحت أمام البشر آمالاً جديدة لا تُحَد، إذ هي تُمكن العلماء من تخليق جينات جديدة وصفات جديدة، «فالأول مرة فى التاريخ يفهم كائن حى أصله ويستطيع أن يتولى تخطيط مستقبله». وفى عام ١٩٧٧م تولى «سينسهايمر» رئاسة حرم جامعة كاليفورنيا فى سانتا كروز - حديث النشأة نسبياً. وكانت الآمال عالقة بذهنه، وفى أواسط الثمانينات من القرن العشرين قام «روبرت سينسهايمر وتشارلس ده ليزى» بمبادرات عديدة أدت لنشأة مشروع الطاقم الوراثى البشرى (مشروع الجينوم).

ويلاحظ أنه بعد دخولنا للقرن الواحد والعشرين وتعدد المصادر التى يمكن التوصل منها لنفس النتائج ووجود جمعيات متعددة تنادى بحقوق الحيوان، قلَّ الاعتماد على هذه الطريقة.

الجولة السادسة:

« اكتشاف إنزيمات التحديد والبتر restriction enzymes وإنزيم

الليجيز Ligase:

اكتشفت إنزيمات التحديد والبتر Nucleases فى البكتيريا فى عام ١٩٦٨ م. وفى مراجع أخرى تذكر أنه فى عام ١٩٦٢ م، اكتشف (Arber) وجود إنزيمات التفسير وحصل على جائزة نوبل عام ١٩٧٨ م، وفى عام ١٩٦٧ م اكتشف (Gellert) إنزيمات اللصق Ligases، ولقد أوجدها المولى عز وجل فى خلايا البكتيريا - أنواع منها لتصبح وسائل دفاعية؛ تتمكن بواسطتها البكتيريا من الدفاع عن نفسها ضد بعض أنواع الفيروسات التى تهاجمها (من نوع لاقمات البكتيريا Phages or bacteriophages) وتسمى أيضاً «الفاجات». ولهذه الإنزيمات القدرة على أن تهزم وتمزق الفيروسات المهاجمة بتقطيع جيناتها (مادتها الوراثية).

وبالتالى تتلف هذه المادة الوراثية للفاجات فتحد من انتشارها.

وسرعان ما تبين أن إنزيم التحديد بخلاف المقصات الحقيقية، أداة تدقق فيما تقطعه، فهى متخصصة وتعمل كمقص منمق، لا تقطع جديلة الدنا إلا بعد ما تبحث به جيداً وتلاقى فيها تتابعاً معيناً من الحروف (نقاط معينة من القواعد النيتروجينية)، يقطع عنده الإنزيم - ما بين قاعدتين محددتين له وبالتالي تحولها لقطع عديمة النفع فتتلف المادة الوراثية للفاجات - (كما ذكرنا منذ قليل) - فتحد من انتشار هذه الفاجات. ومن هذا المنطلق تم استغلال هذه الإنزيمات واستخلاصها من البكتيريا فكانت فتحاً للدخول لعالم الهندسة الوراثية.

ونحن نعرف الآن «٤٠٠» نوع مختلف من إنزيمات التحديد - من أنواع عديدة من البكتيريا - يتعرف كل منها على تتابع مختلف من حروف دنا وراثى ليقطع عندها وكأنه مقص لا يقطع الورق إلا عندما يجد كلمة «تحديد».

وهناك إنزيمات الليجيز Ligases:

وهى الأداة التى تصل وتحيك (تلصق) الجمل السائبة (المقاطع) من «دنا» أينما

وقع عليها، وهذه الإنزيمات موجودة طبيعياً في الخلايا، ووظيفتها إصلاح التكسير أو التقطيع الذي يحدث في الدنا أثناء عملية التضاعف (DNA replication) حيث لها القدرة على ربط قطعتين معاً، وبالرغم من أن كل الخلايا الحية تحتوى على ligases إلا أن الإنزيم الذي يُستخدم في الهندسة الوراثية مستخلص من بعض أنواع بكتيريا الأمعاء *E.coli*.

وإذا ما تحولنا في عالم إنزيمات التحديد واللصق لبعض الوقت (على أن نستكملها في جولات أخرى). نذكر:

١. **بالتنسبية لأنواعها:** نذكر أولاً أنه تتم عملية التكسير من خلال تكسير الروابط الفوسفاتية ثنائية الإستر. والنوعان هما:

(أ) **Exonucleases:** وهي إنزيمات لها المقدرة على قطع أو تكسير نيوكليوتيدات من أطراف «الحامض النووي DNA».

(ب) **"Endonucleases"** وهي إنزيمات لها المقدرة على تكسير الروابط الفوسفاتية ثنائية الإستر داخل جزيء الـ DNA. وبعض إنزيمات Nucleases لها القدرة أيضاً على تكسير الـ RNA مثل إنزيم الـ RNAase والذي يتم معاملة الـ DNA المستخلص به وذلك لتنقية الـ DNA من الـ RNA. وتوجد أنواع عديدة من إنزيمات القطع وتختلف هذه الأنواع عن بعضها البعض حسب تتابع النيوكليوتيدات التي يحدث عندها القطع. ومنها إنزيمات *Hind III*، *Ecori*، *HpaI*

٢. **بالتنسبية لطول القطع:**

وعادة طول القطع الذي يتعرف عليه إنزيم القطع ما بين ٤ و ٨ نويدات (حسب نوع الإنزيم)، وأطلقت على هذه الإنزيمات اسم إنزيمات التحديد، يرجع ذلك في الأصل لأنها تحدد مجال العوائل التي يمكن للفيروس أن يحيا بها، وهذه الإنزيمات يصفها الباحثون بأنها تعمل مثل مقراص أسلاك تحت ميكروسكوب، ولقد مكّن العمل على أنواع عديدة من البكتيريا غير الضارة مثل بكتيريا إيشيريشيا كولاي *E.coli* الباحثين من تعلم كيفية نقل أجزاء محددة من المادة الوراثية من كائن لآخر، وتنجح عملية نقل مادة وراثية من كائن لآخر بناءً على مبدأ أن للمادة الوراثية

للكائنات الحية جميعاً نفس البنية الكيماوية، وبالتالي يمكن استعمال إنزيمات التحديد للقطع ثم باستخدام إنزيمات الوصل أن نصل قطع دنا مأخوذة من بكتيريا في دنايات أو حيوان بل وتولج قطعة من دنا بشرى في المادة الوراثية لنبات أو لبكتيريا فيتكوّن لدينا ذلك الدنا (المطعوم أو الهجين) Recombinant DNA في المعمل، والذي نتج عن وصل قطع دنا من مصادر (كائنات حية) مختلفة.

أمثلة:

إنزيم "EcoR 1" البكتيريا المنتجة له هي إيشيريشيا كولاي E.Coli والتتابع على الجديلتين وموقع البتر: 5- ج. أ أ ث س والأطراف بعد البتر لزجة
س ث أ. ج. 5

إنزيم "Hind III" والبكتيريا المنتجة له هي Haemophilus influenzae، التابع على الجديلتين وموقع البتر: 5- أ. ج س ث والأطراف بعد البتر لزجة
ث س ج. أ. أ

التفسير:

(أ) ولتفسير الأمثلة السابقة نذكر المثال الأول حيث إنزيم "ECORi" وهذا الإنزيم مأخوذ من بكتيريا إيشيريشيا كولاي E.coli. ومن المعلوم مسبقاً أن ترتيب النيوكليوتيدات على أحد شريطي DNA يكون من 5 : 3، فيكون ترتيب النيوكليوتيدات بالجديلة الثانية هو من 3- 5 [راجع كتابنا الأول].

وهذا الإنزيم يتعرف على تتابع من ست نيوكليوتيدات (تتابع التعرف) هي:

5- ج أ أ ث س - 3 ، ويقطع ما بين القاعدتين (ج ، أ)

5- ج. أ أ ث س 1- الجديلة 1 (الاتجاه من 5 - 3).

س ث أ أ ج - 5 2- الجديلة 2 (الاتجاه من 3 - 5).

ملحوظة: يُشار إلى مكان القطع بالنقطة، الإنزيم يتعرف على مكان القطع في الجديلة 1 فيقطع عندها، ويتعرف على مكان القطع في الجديلة 2 فيقطع عندها.

ومن هنا يتبين أن إنزيمات التحديد طالما وجدت التسابعات التي تتعرف عليها بالمادة الوراثية فهي تعمل عندها دون تفرقة بين كائن حي وآخر، وكلما كان التسابع

الذى يتعرف عليه إنزيم التحديد طويلاً - بحيث يقل احتمال وجوده - كان هذا الإنزيم هو الأفضل بالنسبة للباحث لأنه ينتج عدداً محدوداً من الشظايا المتبورة يمكن فصلها وفحصها.

شكل الأطراف بعد البتر:

قد يكون مكان البتر بوسط التابع فيترك مكان القطع بالجديلتين بأطراف جافة blunt ends (وتكون النهايات منتظمة) وقد يكون مكان القطع بالجديلتين بأطراف منحرفاً عن وسط التابع - كما رأينا فى المثال السابق - ليترك مكان القطع بأطراف أو نهايات غير منتظمة وتسمى أيضاً |أطراف لزجة sticky end|.

لماذا لا تهضم إنزيمات التحديد الدنا البكتيرى؟

هناك تفسيرات عديدة تفسر السبب وراء أن إنزيمات التحديد المستخرجة من البكتيريا لا تقطع الدنا الوراثة الخاص بهذه البكتيريا، ومن هذه التفسيرات نذكر ما يلى:

١- أن البكتيريا المنتجة لإنزيم التحديد تُرقم ما يحمل دناها من هذا التابع بإضافة ذرة كربون لبضع قواعد منه، فتحفظ بذلك جهازها الوراثة .

- [سبحان الله تعالى] - تحفظه من البتر وهذا يذكرنا بما سبق ودرسناه بالمرحل التعليمية المختلفة عن كيف أنه لا تقوم إنزيمات الهضم بالجهاز الهضمى بهضم المعدة والاثني عشر والأمعاء!! وكيف أن حمض HCL لا يتسبب فى العادة فى أى ضرر للمعدة رغم خواصه الحامضية المعروفة بقوة تركيزها!!

٢- والتفسير الثانى:

ويعتبر مكملاً .. ويذكر أن للبكتيريا إنزيمات للوقاية الذاتية تصلح بها دناها عندما يُكسر أو يُساء نسخه (هى إنزيمات اللصق Ligase).